

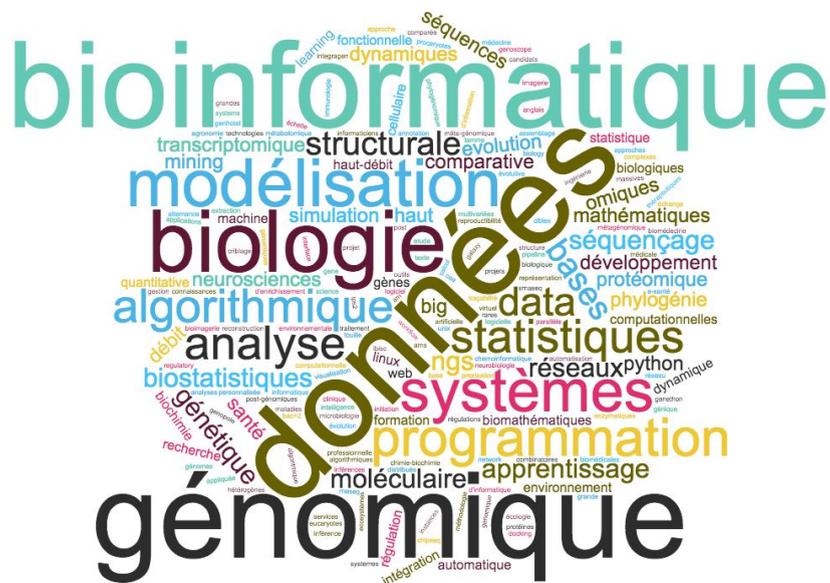
---

# REBIF 2018

## 2ème Rencontre autour de l'Enseignement de la Bioinformatique en France

---

Massy, 31 mai/1er Juin 2018



### Comité d'organisation

- Morgane THOMAS-CHOLLIER (SFBI, École normale supérieure, Paris Sciences et Lettres)
- Jacques VAN HELDEN (Université d'Aix-Marseille)
- Stéphane LE CROM (Sorbonne Université)



## Programme

REBIF se tiendra à **Massy** à l'[Hôtel Mercure Massy Gare TGV](#) du jeudi 31 mai (19h) au vendredi 1 juin (17h) sous la forme d'un séminaire d'entreprise (tous les participants sont logés sur place afin de maximiser les temps d'échange).

### Jeudi 31 mai 2018

19h00-20h00	Accueil des participants
20h30-22h00	Repas

### Vendredi 1er juin 2018

08h30-10h10	Cartographie des mots clefs des formations
10h10-10h30	Présentation de l'unité d'enseignement inter-universitaire Meet-U
10h30-11h00	Pause
11h00-12h30	Restitution journée Metbif : quelles compétences à acquérir en regard des offres de formation
12h30-14h00	Déjeuner
14h00-15h30	Atelier 1 : peut-on avoir un socle commun de compétences en bioinformatique ?
15h30-16h00	Pause
16h00-17h00	Atelier 2 : comment enseigner les bonnes pratiques professionnelles ? <ul style="list-style-type: none"><li>- Développement de code (versionnage, partage, virtualisation et containers)</li><li>- Documentation</li><li>- Tracabilité des analyses (notebooks)</li><li>- Veille bibliographique et technologique (outils et pratiques)</li></ul>
17h00	Clôture de REBIF

## Remerciements et Avant-Propos

REBIF 2018 bénéficie, comme lors de la première édition en 2016, du soutien financier de la Société Française de Bioinformatique (**sfbi**), de l'Institut Français de Bioinformatique (**ifb**).

Nous tenons à remercier toutes les personnes qui ont accepté de participer à REBIF 2018, ainsi que les personnes présentes à l'édition 2016, qui grâce à leurs retours positifs ont stimulé l'organisation de cette 2ème édition.

En tant qu'enseignants-chercheurs, nous développons pour notre recherche un réseau de collaborateurs au niveau national et international, mais pour nos enseignements, ce réseau est le plus souvent local. C'est dans cet esprit d'ouverture et de partage, au-delà des murs de nos Universités respectives et autres Idex et EUR, que nous organisons REBIF.

L'objectif de REBIF est de réunir les acteurs de la formation en bioinformatique au niveau national afin de leur permettre d'échanger, d'appréhender le paysage actuel des formations et de leurs spécificités, et surtout d'établir un véritable réseau de formations.

Les objectifs spécifiques sont multiples :

1. partager les expériences et les stratégies mises en œuvre pour l'élaboration des offres de formation et assurer leur développement et leur pérennité ;
2. élaborer une cartographie de l'offre de formations diplômantes ;
3. permettre la mise en place de collaborations / échanges entre les formations ;
4. faciliter l'orientation des étudiants, grâce à la mise à disposition d'un listing à jour et des fiches formations harmonisées et détaillées.

Pour cette deuxième édition, nous souhaitons approfondir les contenus pédagogiques de chaque formation à travers la cartographie des mots clefs, l'étude des flux d'étudiants, l'enseignement des bonnes pratiques professionnelles et la présentation de l'unité d'enseignement inter-universitaire Meet-U. REBIF 2018 est couplé à la première journée de travail autour des métiers de la Bioinformatique (MetBIF). Une restitution de cette journée permettra de mettre en regard les compétences à acquérir en vue d'une insertion professionnelle et les offres de formation.

Lors de JOBIM 2018, un poster présentera le paysage actuel des formations et de leurs spécificités, ainsi que les points discutés et les grandes conclusions de cette rencontre.

Nous vous remercions de votre présence et espérons que cette rencontre nous ouvre de nouvelles perspectives.

Stéphane LE CROM, Morgane THOMAS-CHOLLIER, Jacques VAN HELDEN

## Participants

---

Mme Anne Badel Université Paris Diderot	<a href="mailto:anne.badel@univ-paris-diderot.fr">anne.badel@univ-paris-diderot.fr</a>
M. Roland Barriot Université Paul Sabatier - Toulouse III	<a href="mailto:barriot@biotoul.fr">barriot@biotoul.fr</a>
Mme Gisèle Bronner Université Clermont-Auvergne (Blaise Pascal)	<a href="mailto:gisele.bronner@univ-bpclermont.fr">gisele.bronner@univ-bpclermont.fr</a>
Mme Nathalie Boudet Université d'Evry / Paris-Saclay	<a href="mailto:nathalie.boudet@univ-evry.fr">nathalie.boudet@univ-evry.fr</a>
Mme Hélène Chiapello SFBI	<a href="mailto:helene.chiapello@inra.fr">helene.chiapello@inra.fr</a>
M. Jean-Paul Comet Université Nice Sophia	<a href="mailto:comet@unice.fr">comet@unice.fr</a>
M. Bertrand Cosson Université Paris Diderot	<a href="mailto:bertrand.cosson@univ-paris-diderot.fr">bertrand.cosson@univ-paris-diderot.fr</a>
M. Olivier Dameron Université de Rennes 1	<a href="mailto:olivier.dameron@univ-rennes1.fr">olivier.dameron@univ-rennes1.fr</a>
Mme Hélène Dauchel Université de Rouen Normandie	<a href="mailto:helene.dauchel@univ-rouen.fr">helene.dauchel@univ-rouen.fr</a>
M. Yannis Duffourd CHU Dijon - Université de Bourgogne	<a href="mailto:yannis.duffourd@u-bourgogne.fr">yannis.duffourd@u-bourgogne.fr</a>
Mme Catherine Etchebest Université Paris-Diderot	<a href="mailto:catherine.etchebest@univ-paris-diderot.fr">catherine.etchebest@univ-paris-diderot.fr</a>
Mme Anna-Sophie Fiston-Lavier Université de Montpellier	<a href="mailto:anna-sophie.fiston-lavier@umontpellier.fr">anna-sophie.fiston-lavier@umontpellier.fr</a>
M. Jean-Christophe Gelly Université Paris-Diderot	<a href="mailto:jean-christophe.gelly@univ-paris-diderot.fr">jean-christophe.gelly@univ-paris-diderot.fr</a>
Mme Carole Knibbe INSA de Lyon	<a href="mailto:carole.knibbe@insa-lyon.fr">carole.knibbe@insa-lyon.fr</a>
M. Stéphane Le Crom Sorbonne Université	<a href="mailto:stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr">stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr</a>
M. Alban Mancheron Université de Montpellier	<a href="mailto:alban.mancheron@umontpellier.fr">alban.mancheron@umontpellier.fr</a>

---

---

M. Samuel Mondy SFBI	<a href="mailto:samuel.mondy@inra.fr">samuel.mondy@inra.fr</a>
M. Mathieu Montes CNAM	<a href="mailto:matthieu.montes@cnam.fr">matthieu.montes@cnam.fr</a>
M Gautier Moroy Université Paris Diderot	<a href="mailto:gautier.moroy@univ-paris-diderot.fr">gautier.moroy@univ-paris-diderot.fr</a>
Mme Valérie Polonais IUT Clermont Université	<a href="mailto:valerie.polonais@uca.fr">valerie.polonais@uca.fr</a>
Mme Karine Robbe Sermesant Université Cote d'Azur	<a href="mailto:krobbe@ipmc.cnrs.fr">krobbe@ipmc.cnrs.fr</a>
Mme Fariza Tahy Université d'Evry / Paris-Saclay	<a href="mailto:fariza.tahi@univ-evry.fr">fariza.tahi@univ-evry.fr</a>
M. Jean-Christophe Taveau Université de Bordeaux	<a href="mailto:jean-christophe.taveau@u-bordeaux.fr">jean-christophe.taveau@u-bordeaux.fr</a>
Mme Morgane Thomas-Chollier École normale supérieure + SFBI	<a href="mailto:mthomas@biologie.ens.fr">mthomas@biologie.ens.fr</a>
M. Jacques van Helden Aix-Marseille Université	<a href="mailto:Jacques.van-Helden@univ-amu.fr">Jacques.van-Helden@univ-amu.fr</a>
M. Cristian Versari Université de Lille	<a href="mailto:cristian.versari@univ-lille.fr">cristian.versari@univ-lille.fr</a>
M. Jean-Marie Wurtz Université de Strasbourg	<a href="mailto:jm.wurtz@unistra.fr">jm.wurtz@unistra.fr</a>

---



## Liste des formations en Bioinformatique en France

\* Formations présentes à REBIF2018

Formation	Type	Université	Ville
<a href="#">DUT Génie Biologique option bioinformatique</a>	DUT	Université d'Auvergne-IUT de Clermont-Ferrand	Clermont-Ferrand
<a href="#">Licence Bio-Informatique, Statistique et Modélisation – BISM</a>	Licence	Université de Lyon 1	Lyon
* <a href="#">Licence Sciences de la vie Parcours Biologie, Informatique, Mathématiques (BIM)</a>	Licence	Université de Nice-Sophia Antipolis	Nice
* <a href="#">Licence Sciences du Vivant, parcours Biologie Informatique</a>	Licence	Université Paris Diderot	Paris
<a href="#">Licence Sciences du Vivant, parcours Génie bioinformatique</a>	Licence	Université de Poitiers	Poitiers
<a href="#">Double Licence Sciences de la vie et Informatique</a>	Licence	Université Paris Saclay	Evry
* <a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université de Bordeaux	Bordeaux
* <a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université Clermont-Auvergne (Blaise Pascal)	Clermont-Ferrand
<a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université de Lyon 1	Lyon
* <a href="#">Master en Bioinformatique</a>	Master	Université d'Aix-Marseille	Marseille
* <a href="#">Master Sciences &amp; Numérique pour la Santé (SNS)</a>	Master	Université de Montpellier	Montpellier
<a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université de Nantes	Nantes
* <a href="#">Master Sciences de la Vie et de la Santé</a>	Master	Université de Nice-Sophia Antipolis	Nice
* <a href="#">Master Biologie-Informatique / Bioinformatique (BIB)</a>	Master	Université Paris Diderot	Paris
* <a href="#">Master In silico drug design – Bioinformatique</a>	Master	Université Paris Diderot	Paris
* <a href="#">Master de Bioinformatique (parcours GENIOHME)</a>	Master	Université Paris Saclay	Evry
<a href="#">Master de Bioinformatique (parcours BIBS (M1)/AMI2B (M2))</a>	Master	Université Paris Saclay	Orsay
* <a href="#">Master Biologie Moléculaire et Cellulaire (BIM-BMC)</a>	Master	Sorbonne Université	Paris
* <a href="#">Master Informatique, spécialité bioinformatique et modélisation (BIM-info)</a>	Master	Sorbonne Université	Paris

*	<a href="#">Master in Life Sciences (ImaLiS), parcours Biologie des systèmes, génomique et bioinformatique</a>	Master	École normale supérieure, PSL	Paris
	<a href="#">Master Biologie Santé Science du Médicament - Génie Physiologique Biotechnologique et Informatique</a>	Master	Université de Poitiers	Poitiers
*	<a href="#">Master Bioinformatique</a>	Master	Université de Rennes 1	Rennes
*	<a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université de Rouen Normandie	Rouen
*	<a href="#">Master biologie structurale intégrative et bioinformatique</a>	Master	Université de Strasbourg	Strasbourg
*	<a href="#">Master de Bioinformatique</a>	Master	Université Paul Sabatier (Toulouse 3)	Toulouse
*	<a href="#">Biosciences, filière Bioinformatique et Modélisation</a>	Ecole d'ingénieur	INSA Lyon	Lyon
*	<a href="#">Ingénieur Génie Biologique option Bioinformatique et Modélisation pour la biologie (BIMB)</a>	Ecole d'ingénieur	Polytech'Nice, Université de Nice-Sophia Antipolis	Nice
	<a href="#">Institut Supérieur de Biosciences</a>	Ecole d'ingénieur	Université Paris-Est Créteil	Paris
*	<a href="#">Certificat de compétences, licence professionnelle, diplôme d'ingénieur</a>		Conservatoire National des Arts et Métiers	Paris
*	<a href="#">Diplôme universitaire Création, analyse et valorisation des données omiques</a>	DU	Université Paris Diderot	Paris
*	<a href="#">DU Séquençage haut débit et maladies génétiques</a>	DU	Université de Bourgogne	Dijon

## Clermont-Ferrand – DUT Génie Biologique option bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	POLONAIS
Prénom	Valérie
Email	valerie.polonais@uca.fr
Statut académique	MCF
Rôle dans la formation	Responsable du DUT Génie Biologique option bioinformatique
CNU (si applicable)	67

### Descriptif de la formation

Institution	IUT-Université Clermont Auvergne
Localité	Clermont-Ferrand
Niveau (Licence, Master, ...)	DUT, Bac+2
Intitulé officiel	DUT Génie Biologique option bioinformatique
Mention	
Acronyme	
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="https://www.iut-clermont.fr/">https://www.iut-clermont.fr/</a>
Durée (années)	2 ans
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2000
Diplômes donnant accès/ publics visés	Bac S, STL
Principales orientations thématiques	Génomique, Bases de données, Traitement de données de masse
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Former des <b>techniciens supérieurs</b> possédant une <b>double compétence biologie/informatique</b> pouvant intégrer toute structure travaillant sur la production et l'analyse de données biologiques
Relations avec l'entreprise	Surtout à travers des stages, quelques intervenants vacataires
Succès et expériences positives	Participation à l'organisation JoBim 2015 à Clermont-Ferrand
Difficultés rencontrées	Recrutement à niveau Bac, Stage niveau technicien, Guider les étudiants dans leurs poursuites d'études
Autres remarques concernant votre formation	Unique en France, 40% de Travaux Pratiques, polyvalence des étudiants

## Mots clefs caractérisant votre formation

Formation Bac+2; Génomique

## Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	44		37			
2016-2017	51		29	27		
2015-2016	43		36	34		
2014-2015	47		29	29		
2013-2014	42		41	39		

## Flux des étudiants entrants

Les étudiants sont recrutés à 50% dans les lycées de la région Auvergne Rhone Alpes.

Niveau : DUT Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations internationales
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total				

## Flux des étudiants sortants (niveau le plus élevé disponible)

Année de sortie	Poursuite en Licence	Poursuite hors Licence	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	21				3	3
2016	26	1			2	5
2015	21	6*			1	1
2014	33					6
2013	19					4

\* DUT Informatique/Licence informatique

## Lyon – Licence Bio-Informatique, Statistique et Modélisation – BISM (ex-MIV)

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Claude Bernard Lyon 1
Localité	Villeurbanne
Niveau (Licence, Master, ...)	Licence
Intitulé officiel	Licence STS
Mention	Mention Sciences de la Vie
Acronyme	BISM (anciennement MIV)
Parcours	Bio-Informatique, Statistique et Modélisation Responsable : DUFOUR Anne beatrice anne-beatrice.dufour@univ-lyon1.fr
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://offre-de-formations.univ-lyon1.fr/parcours-321/bio-informatique,-statistique-et-modelisation.html">http://offre-de-formations.univ-lyon1.fr/parcours-321/bio-informatique,-statistique-et-modelisation.html</a>
Durée (années)	3 ans
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	Environ 2000
Diplômes donnant accès/ publics visés	Bacheliers, IUT, BTS, classes prépa.
Principales orientations thématiques	Licence interdisciplinaire mêlant biostatistiques , bioinformatique , modélisation et sciences de la vie.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	-Former les étudiants aux bases de la biologie, mais aussi des statistiques, de la modélisation, et de l'informatique - Leur permettre de dialoguer entre les différentes disciplines
Relations avec l'entreprise	

## Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

## Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

## Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

## Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Nice – L3 Sciences de la vie Parcours Biologie, Informatique, Mathématiques (BIM)

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Robbe-Sermesant
Prénom	Karine
Email	krobbe@ipmc.cnrs.fr
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	UE Introduction à la programmation UE Bioinformatique appliquée aux séquences
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	Université
Localité	Nice
Niveau (Licence, Master, ...)	Licence (L3)
Intitulé officiel	Sciences de la vie.
Mention	
Acronyme	L3 SV-BIM
Parcours	Parcours Biologie-Informatique-Mathématiques
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://unice.fr/faculte-des-sciences/departements/sciences-de-la-vie/cursus-et-formations/licence-svs/licence3-svs">http://unice.fr/faculte-des-sciences/departements/sciences-de-la-vie/cursus-et-formations/licence-svs/licence3-svs</a>
Durée (années)	1
Langue des enseignements	F
Année de fondation	2007
Diplômes donnant accès/ publics visés	L2-Biologie ; DUT ; BTS ... toute formation équivalente à Bac + 2 années de biologie.
Principales orientations thématiques	Programmation ; Mathématiques ; algorithmique ; Biologie informatique et maths appliquées à la biologie
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	La licence parcours BIM propose une initiation à l'application des sciences de l'informatique et des mathématiques à des problèmes/systèmes d'ordre biologique par une initiation à la programmation, à l'algorithmique tout en redonnant des fondements mathématiques. L'approche par projets pluridisciplinaires permet aux étudiants de mieux appréhender le challenge de la bioinformatique.
Relations avec l'entreprise	-

### Mots clefs caractérisant votre formation

Biologie Informatique Mathématiques Approche projet Python Linux Algorithmique Régulation génique Génomique Biologie structurale Bioinformatique appliquée Modélisation Statistiques Bases de données en biologie Régulations enzymatiques Evolution moléculaire

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018					17	
2016-2017					21	12
2015-2016					27	22
2014-2015					16	14
2013-2014					6	6

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	15	2	0	2
2016-2017	18	2	0	1
2015-2016	25	2	0	0
2014-2015	15	1	0	0
2013-2014	5	1	0	0
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	11/12	1/12	6 en M1 bioinfo 4 en Ecol ing			1
2016	14/22	8/22	10 en M2 bioinfo 4 en Ecole Ing			0
2015	13/14	1/14	5 (dont 2 en thèse)	3 (info)		6 (dont 5 hors Master Nice)
2014	5/6		3 (tous en thèse)	2 (info)		1
2013						

## Paris-Diderot – Sciences du Vivant, parcours Biologie Informatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Badel
Prénom	Anne
Email	anne.badel@univ-paris-diderot.fr
Statut académique	MC
Rôle dans la formation	Dominante du parcours Biologie-Biomolécules-bioinformatique de la licence Sciences du Vivant
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris Diderot
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Licence
Intitulé officiel	Biologie-Informatique
Mention	
Acronyme	L3BI
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://biteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/lbi/">http://biteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/lbi/</a>
Durée (années)	1 an
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2001 : Licence de Biologie-Informatique.
Diplômes donnant accès/ publics visés	Equivalent L2 Biologie ou Informatique (L2, DUT , BTS, CPGE)
Principales orientations thématiques	Biologie moléculaire, programmation et algorithmique biostatistique
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Acquérir les bases en Biologie et Informatique
Relations avec l'entreprise	

## Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

## Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018					20	
2016-2017					21	18
2015-2016					25	20
2014-2015					26	24
2013-2014					29	23

## Origine des étudiants entrants

Niveau :L3 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	8		11	1
2016-2017	9		12	
2015-2016	10		15	
2014-2015	12		14	
2013-2014	17		12	
Total	(%)	(%)		

## Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	10	11				
2016	16	7				
2015	16	10				
2014	21	8				
2013	7	4				

## Poitiers – Licence Génie-Bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Poitiers
Localité	Poitiers
Niveau (Licence, Master, ...)	L3
Intitulé officiel	L3 Génie-Bioinformatique
Mention	Science du Vivant (L3)
Acronyme	GPHY
Parcours	Génie-Bio-informatique (L3) Responsable : <b>Geniet Annie</b> <a href="mailto:annie.geniet@univ-poitiers.fr">annie.geniet@univ-poitiers.fr</a>
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	
Durée (années)	1 années
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	1973
Diplômes donnant accès/ publics visés	L2 Biologie – IUT ABB, IAB, Bio-info – BTS – Classes prépas BCPST
Principales orientations thématiques	Double compétence biologie et informatique - Informatique pour la biologie – Gestion de projet
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Préparer les étudiants à être cadres dans les entreprises du secteur de la santé. Les former à toutes les facettes des projets incluant des outils informatiques, aussi bien au niveau du développement que de la qualité, de la validation, des aspects fonctionnels, du consulting.
Relations avec l'entreprise	Stages en L3 (3 mois) dans les entreprises partenaires. implications des acteurs du secteur dans la formation
Succès et expériences positives	Liens forts avec les partenaires industriels issus de coopérations mises en place tout au long des 43 ans de la formation.
Difficultés rencontrées	Problème de visibilité malgré nos efforts depuis la disparition des IUP

Autres remarques concernant votre formation	
---	--

**Mots clefs caractérisant votre formation**

**Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés**

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016					56	
2014-2015					56	44
2013-2014					46	42

**Flux des étudiants entrants**

Niveau : L3 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations internationales
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total				

**Flux des étudiants sortants (niveau le plus élevé disponible)**

Année de sortie	Poursuite en Master	Poursuite hors Master	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Evry – Double Licence Sciences de la vie et Informatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris Saclay
Localité	
Niveau (Licence, Master, ...)	
Intitulé officiel	
Mention	
Acronyme	
Parcours	Responsable : Christelle Monville resplicencebio@univ-evry.fr
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	
Durée (années)	
Langue des enseignements	
Année de fondation	
Diplômes donnant accès/ publics visés	
Principales orientations thématiques	
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	
Relations avec l'entreprise	

### Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						

2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Bordeaux – Master Bioinformatique – MSBioinfoUBX

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	TAVEAU
Prénom	Jean Christophe
Email	jean-christophe.taveau@u-bordeaux.fr
Statut académique	Professeur
Rôle dans la formation	Responsable Mention Master Bioinformatique
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Bordeaux, UF biologie
Localité	Bordeaux
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master de Bioinformatique
Mention	Mention
Acronyme	<b>MSBioinfoUBX</b>
Parcours	3 parcours : - Biologie Computationnelle - Du Génome aux Ecosystèmes - Parcours international "Bioinformatics and Omics"
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://master-bioinfo-bordeaux.github.io/">http://master-bioinfo-bordeaux.github.io/</a>
Durée (années)	2 années
Langue des enseignements	Anglais (parcours international) et français
Année de fondation	2002
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence de Biologie ou de Bioinformatique
Principales orientations thématiques	La mention bioinformatique propose 3 parcours: - Le parcours "Biologie Computationnelle" est centré sur l'acquisition de compétences en développement logiciel et les méthodologies de gestion de données incluant la modélisation, la simulation de processus et l'analyse d'images biologiques. - le parcours "Du Génome aux Ecosystèmes" est focalisé sur l'utilisation avancée des logiciels de bioinformatique avec une spécialisation possible sur les applications moléculaire (omiques) et/ou environnementale (génétique des populations).

	- le parcours international "Bioinformatics and Omics" qui s'appuie sur une collaboration étroite et complémentaire avec l'Université du Pays Basque (Bilbao, Espagne) et vise à former des étudiants (i) aux nouvelles méthodes de la bioinformatique (NGS, métagénomique, Big Data, etc.) et (ii) aux nouvelles approches à la production de données « omics » avec une mobilité de 6 mois à Bilbao.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Les compétences acquises au cours de cette formation permettront de faire face aux défis de la biologie 2.0 avec les nouvelles technologies de production de données du vivant à haut débit. Il s'agit donc d'acquérir une double compétence en informatique (algorithmique et programmation) et biologie de manière à faire des étudiants de biologie des utilisateurs avancés (développement logiciel et analyse experte de données) du génome aux écosystèmes.
Relations avec l'entreprise	Le master a intégré récemment dans son conseil de perfectionnement acteurs du monde professionnel et académique en relation avec la bioinformatique et ses applications et accueillant régulièrement des stagiaires de 2ème année.

### Mots clefs caractérisant votre formation

Algorithmique, anglais, bases de données, bioimagerie, bioinformatique, biostatistiques, environnement, écosystèmes, modélisation, NGS, omiques, programmation, simulation, technologies web

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	30		30			
2016-2017	43	x	29	28		
2015-2016	30	x	15	14		
2014-2015	21	x	16	15		
2013-2014	18	x	14	13		

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	13	0	16	1
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(30%)	(%) ?	(70%)	< 1%

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016	?	?	?	?	?	6 (40%)
2015	5 (38.5%)		5 (38.5%)		3 (23.1%)	3 (23.1%)
2014	2 (18.2%)		7 (63.6%)		2 (18.2%)	2 (18.2%)
2013	5 (50%)		4 (40%)		1 (10%)	0

Questionnaire réalisé six mois après obtention du diplôme. Pour 2016, trop peu de réponses.

## Clermont-Ferrand – Analyse et Modélisation des Données – AMD

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Bronner
Prénom	Gisèle
Email	gisele.bronner@uca.fr
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	Responsable Master Bio-informatique, parcours Analyse et Modélisation des Données (AMD).
CNU (si applicable)	Section 65

### Descriptif de la formation

Institution	Université Clermont Auvergne
Localité	Clermont-Ferrand / site Cézeaux Aubière
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master Bio-informatique
Mention	Master Bio-informatique
Acronyme	AMD
Parcours	parcours Analyse et Modélisation des Données (AMD)
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://www.uca.fr/formation/nos-formations/catalogue-des-formations/master-bio-informatique-10126.kjsp">http://www.uca.fr/formation/nos-formations/catalogue-des-formations/master-bio-informatique-10126.kjsp</a>
Durée (années)	2 ans
Langue des enseignements	français
Année de fondation	2000 (DESS) puis 2004 (Master 2e année uniquement) puis 2008 (Master)
Diplômes donnant accès/ publics visés	Sur dossier : CV, Lettre de motivation explicitant le projet professionnel, Relevés de notes du baccalauréat et de toute la formation post-bac
Principales orientations thématiques	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Analyse de données génomiques et post-génomique</li> <li>- Intégration de données pour la conception de réseaux biologiques</li> <li>- Web services et calculs distribués</li> <li>- Meta-omiques</li> </ul>
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	<ul style="list-style-type: none"> <li>- maîtrise des concepts et outils classiques de la bioinformatique associés à l'acquisition des fondamentaux en biologie, informatique et en statistiques</li> <li>- Concevoir des chaînes de traitement et les mettre en œuvre dans le cadre de projets de génomique et de post-génomique à haut débit.</li> </ul>
Relations avec l'entreprise	plutôt dans le secteur de l'agronomie (semenciers)

### Mots clés caractérisant votre formation

génomique (comparative) - post génomique - génomique environnementale (méta-génomique) - réseaux de gènes

programmation / algorithmie - bases de données - intégration de données omiques - calcul distribués - web services

microbiologie - santé - environnement - agronomie

analyse NGS - réseaux

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	14		10			
2016-2017	11	9	12	12		
2015-2016	14	13	14	14		
2014-2015	18	17 (ou 16 ?)	4	4		
2013-2014	9	9	10	10		

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	11	1		1
2016-2017	6	1	3	
2015-2016	9	1	4	
2014-2015	10	4	3	1
2013-2014	3	1	1	4
Total	61 (%)	12.5 (%)	17 %	9.3 %

*Les M2 sont en poursuite d'étude à l'exception de 2017-18 ou nous avons un recrutement national.*

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	1 (thèse)		8	1	1	1
2016	6 (thèse)		6			2
2015			5			2
2014	2 (thèse)		1			1
2013	4 (thèse)	1 (thèse)	5			

## Lyon – Bio-informatique – BIOINFO@LYON

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Claude Bernard (Lyon 1)
Localité	Lyon
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Bio-Informatique
Mention	Bio-Informatique Responsable : Céline BROCHIER-ARMANET celine.brochier-armanet@univ-lyon1.fr
Acronyme	Bioinfo@lyon
Parcours	Bio-Informatique Moléculaire : Méthodes et Analyses
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://www.bioinfo-lyon.fr/">http://www.bioinfo-lyon.fr/</a>
Durée (années)	2 ans
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2016
Diplômes donnant accès/ publics visés	Les licences de Bioinformatique, mais aussi les licences d'Informatique, de Biologie, et de Biochimie.
Principales orientations thématiques	Le master bioinfo@lyon est une porte d'accès aux secteurs d'activités en lien avec l'analyse de données moléculaires. Il place les méthodes et techniques d'analyse au cœur de la formation et inclut une formation solide en informatique.  Le master s'adosse à des structures de recherche dont l'expertise est reconnue internationalement et sur un vivier important d'entreprises innovantes dans le secteur de la bioinformatique moléculaire.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Le master Bioinformatique de l'Université Claude Bernard Lyon 1 s'inscrit dans cette dynamique en formant des spécialistes des méthodes et des techniques d'analyse en bioinformatique moléculaire capables d'innover dans ce secteur de pointe. Formation en cours de mise en place
Relations avec l'entreprise	La formation est ouverte à l'alternance (contrats pro). Elle a accueilli

### Mots clés caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrant

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Marseille – Master en Bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	van Helden
Prénom	Jacques
Email	Jacques.van-Helden@univ-amu.fr
Statut académique	PU
Rôle dans la formation	Responsable de mention
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Aix-Marseille Université (AMU)
Localité	Marseille
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Mention “Master en bio-informatique”
Mention	Bioinformatique
Acronyme	Bioinformatique
Parcours	<ol style="list-style-type: none"> <li>Développement Logiciel et Analyse des Données (DLAD)</li> <li>Computational and Mathematical Biology (CMB)</li> </ol>
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Spécialité recherche
Site Web	<a href="https://formations.univ-amu.fr/ME5SBI.html">https://formations.univ-amu.fr/ME5SBI.html</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	<ol style="list-style-type: none"> <li>Parcours DLAD: français</li> <li>Parcours CMB: anglais</li> </ol>
Année de fondation	Mention bioinformatique fondée en septembre 2018, issue du parcours “Bioinformatique et génomique” de l’ancien master Bioinformatique, Biologie Structurale et Génomique (BBSG) fondé en 2004. Parcours CMB fondé en 2018.
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licences de Biologie, Licences d’Informatique et de Mathématiques (après mise à niveau en biologie au travers de l’école d’été de biologie)
Principales orientations thématiques	<ol style="list-style-type: none"> <li>Parcours DLAD: développement logiciel, analyse de données génomiques, transcriptomiques et protéomiques.</li> <li>Parcours CMB: modélisation des processus biologiques, avec applications en neurosciences, immunologie et biologie du développement.</li> </ol>
Objectifs pédagogiques ( <i>2-3 lignes</i> )	Former des étudiants capables de développer et mettre en oeuvre des outils informatiques et statistiques pour résoudre des problématiques biologiques, en suivant les bonnes pratiques d’ingénierie logicielle et de science reproductible. Appliquer ces méthodes à l’analyse de données génomiques, protéomiques, de phylogénie moléculaire.

Relations avec l'entreprise	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Des entreprises sont invitées à participer aux modules de professionnalisation.</li> <li>- Les stages de M1 et M2 peuvent être réalisés en entreprise.</li> </ul>
-----------------------------	--

### Mots clefs caractérisant votre formation

Parcours DLAD: bioinformatique, programmation, ingénierie logicielle, analyse statistique, données à haut débit, big data, génomique, protéomique, phylogénie moléculaire.

Parcours CMB: biomathématiques, modélisation des systèmes dynamiques, analyse des réseaux biologiques, neurosciences, immunologie, biologie du développement.

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Montpellier – Master Sciences & Numérique pour la Santé, Parcours « Bioinformatique, Connaissances, Données » – SNS/BCD

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Fiston-Lavier
Prénom	Anna-Sophie
Email	anna-sophie.fiston-lavier@umontpellier.fr
Statut académique	Maître de Conférences
Rôle dans la formation	Responsable du parcours BCD
CNU (si applicable)	27

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Montpellier
Localité	Montpellier
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master Sciences & Numérique pour la Santé, parcours « Bioinformatique, Connaissances, Données »
Mention	Sciences & Numérique pour la Santé
Acronyme	SNS/BCD
Parcours	Bioinformatique, Connaissances, Données
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://sns.edu.umontpellier.fr/fr/master-sciences-numerique-pour-la-sante-montpellier/">http://sns.edu.umontpellier.fr/fr/master-sciences-numerique-pour-la-sante-montpellier/</a>
Durée (années)	2 ans
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2011
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence en Sciences du Vivant, en Santé, en Statistique, en Informatique, en Mathématiques ou équivalent
Principales orientations thématiques	Le parcours BCD prépare les étudiants d'une part à la bioinformatique (analyse de données, analyse de séquences, évolution)
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Le master prépare les étudiants aux métiers d'ingénieur d'étude, d'ingénieur de recherche, chercheur, enseignant-chercheur ainsi que les autres métiers transversaux entre la biologie et l'informatique
Relations avec l'entreprise	La formation prévoit des phases d'immersion en entreprise, en laboratoire ou en service hospitalier chaque année de la formation par le biais de projets et stages

### Mots clefs caractérisant votre formation

Programmation, Algorithmique du texte, Base de données, Data mining, Séquençage haut-débit (NGS), Génomique, Phylogénie, Statistiques, E-Santé, Evolution

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	20		16		NA	NA
2016-2017	22	16	22	22	NA	NA
2015-2016	21	21	17	16	NA	NA
2014-2015	16	16	23	23	NA	NA
2013-2014	15	12	17	17	NA	NA

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine	Étudiants en formations continue
2017-2018	11	2	6	0	1
2016-2017	14	2	1	3	2
2015-2016	8	5	6	1	1
2014-2015	5	2	7	1	1
2013-2014	2	4	7	1	1
Total	40 (42,55%)	15	27	6	6 (6,5%)

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine	Étudiants en formations continue ou ingénieurs ou médecins
2017-2018	13	0	0	0	3
2016-2017	16	0	0	1	5
2015-2016	10	0	0	0	7
2014-2015	9	0	0	0	14
2013-2014	17	0	0	0	0
Total	65 (68,42%)	0	0	1	29 (30,5%)

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	16	0	16	0	1	5
2016	21	0	14	1	2	0
2015	16	0	15	1	3	4
2014	12	0	11	1	0	5
2013	13	0	8	2	0	4

## Nantes – Master de Bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	
Localité	
Niveau (Licence, Master, ...)	
Intitulé officiel	
Mention	Responsable : Christine Sinoquet christine.sinoquet@univ-nantes.fr
Acronyme	
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	
Durée (années)	
Langue des enseignements	
Année de fondation	
Diplômes donnant accès/ publics visés	
Principales orientations thématiques	
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	
Relations avec l'entreprise	

### Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Nice – Master Sciences de la Vie et de la Santé – SVS BIM

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Robbe-Sermesant
Prénom	Karine
Email	krobbe@ipmc.cnrs.fr
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	Resp Master Parcours BIM UE Omiques
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	Université Nice-Sophia Antipolis
Localité	Nice
Niveau (Licence, Master, ...)	Master 1 et Master 2
Intitulé officiel	Master Sciences de la Vie et de la Santé
Mention	
Acronyme	SVS BIM
Parcours	Biologie Informatique Mathématiques
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Génétique, Immunité, Développement
Site Web	<a href="http://www.unice.fr/mastersvs/">http://www.unice.fr/mastersvs/</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2011
Diplômes donnant accès/ publics visés	L3
Principales orientations thématiques	Le Master Parcours BIM permet d'acquérir les compétences nécessaires au suivi de projets pluridisciplinaires en Biologie, Informatique et Mathématiques. La majeure constituant l'aspect Modélisation. L'aspect application pratique est valorisé par deux stages longs en M1 (5 mois) et M2 (6 mois).
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	
Relations avec l'entreprise	-

### Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Paris-Diderot – Master Biologie-Informatique / Bioinformatique – BIB

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme	M
Nom	Etchebest	Gelly
Prénom	Catherine	Jean-Christophe
Email	catherine.etcbebest@univ-paris-diderot.fr	jean-christophe.gelly@univ-paris-diderot.fr
Statut académique	Professeur	Maître de Conférences
Rôle dans la formation	Responsable Mention Biologie-Informatique / Bioinformatique, Responsable d'UE	Co-responsable du M2
CNU (si applicable)	64	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris Diderot
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Biologie-Informatique / Bioinformatique
Mention	
Acronyme	BIB
Parcours	M1 : parcours BioInformatique / parcours Informatique pour Biologistes.
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Pas de spécialité
Site Web	<a href="http://biteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/m1bi/">http://biteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/m1bi/</a> <a href="http://www.dsimb.inserm.fr/m2bi/">http://www.dsimb.inserm.fr/m2bi/</a>
Durée (années)	2 ans
Langue des enseignements	Français pour la plupart.
Année de fondation	1997 : DEA AGM2 (Analyse des Génomes et Modélisation Moléculaire). 2001 : Licence de Biologie-Informatique. 2002 : Maîtrise de Biologie-Informatique. 2003 : Master Biologie-Informatique.
Diplômes donnant accès/ publics visés	M1 : L3 Bio3 - Bioinformatique (Paris Diderot), L3 Physique-Chimie, L3 Biologie-Biochimie, L3 Informatique.
Principales orientations thématiques	Bioinformatique génomique, bioinformatique structurale, biologie systémique, développement méthodologique, programmation.
Objectifs pédagogiques ( <i>2-3 lignes</i> )	Acquérir des compétences méthodologiques et pratiques en bioinformatique, par une combinaison de cours et la réalisation de nombreux projets individuels ou collectifs fondés pour la plupart sur l'analyse de données et la programmation.
Relations avec l'entreprise	

### Mots clefs caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Paris-Diderot – Master in silico Drug Design – ISDD

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Moroy
Prénom	Gautier
Email	gautier.moroy@univ-paris-diderot.fr
Statut académique	Maître de conférences
Rôle dans la formation	Enseignant, responsable d'UEs Responsable : Anne-Claude Camproux anne-claude.camproux@univ-paris-diderot.fr
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris Diderot
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	In silico Drug Design
Mention	In silico Drug Design
Acronyme	ISDD
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	spécialité « Analyse <i>in silico</i> des complexes macromolécules biologiques-médicaments » : MMis ; spécialité double franco-italienne « Design <i>in silico</i> des molécules bioactives » : IsMB
Site Web	<a href="http://isdteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/fr/accueil.html">http://isdteach.sdv.univ-paris-diderot.fr/fr/accueil.html</a>
Durée (années)	2 années
Langue des enseignements	Français et une partie en anglais (25% à 50% selon la spécialité)
Année de fondation	2010
Diplômes donnant accès/ publics visés	Equivalent licence en biochimie ou chimie ou bioinformatique
Principales orientations thématiques	Le <b>master « ISDD »</b> ou « Innovation thérapeutique assistée par ordinateur à l'interface Chimie Biologie » a pour but de former des étudiants pour <b>modéliser les futurs médicaments à l'aide d'approches <i>in silico</i></b> . Cette mention complète l'offre de formation en Sciences du Vivant et en Chimie par une formation <i>in silico</i> avec de fortes implications dans le domaine de la Santé dont la clé de voûte est l'interdisciplinarité. Le master « <i>In Silico Drug Design</i> » propose <b>l'ensemble des connaissances <i>in silico</i> nécessaires au processus de recherche de nouvelles molécules thérapeutiques</b> .
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Les méthodes de Drug Design <i>in silico</i> : bioinformatique structurale, docking, chémoinformatique, biostatistiques sont enseignées aux étudiants car elle facilitent la découverte de molécules bioactives, permettent de diminuer les coûts et d'identifier plus rapidement des molécules potentiellement thérapeutiques. Elles sont désormais irremplaçables dans

	l'arsenal des découvreurs de médicaments et forment un domaine de recherche en plein essor en France et en Europe. Cette formation offre aux étudiants des débouchés dans le monde privé et académique, aussi bien au niveau international que national.
Relations avec l'entreprise	Nombreux stages en entreprises, visites d'entreprise et séminaires effectués par des entreprises (Servier, Sanofi, L'oréal).

### Mots clefs caractérisant votre formation

Bioinformatique structurale, chemoinformatique, analyse de données, docking et criblage virtuel, simulation de dynamique moléculaire, interface chimie-biochimie, cibles thérapeutiques

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année MAster 1	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année Master 2	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	18		17			
2016-2017	15	14	19	19		
2015-2016	16	14	16	15		
2014-2015	14	12	16	16		
2013-2014	14	11	15	15		

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	30%	10%	40%	30%
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	30%	10%	40%	30%

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuit e hors filère	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatiq ue	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	40 % these internationale 30% thèse nationale 30% ingénieur ou autres national et international		majoritairement en drug design et bioinformatique structurale	5 à 20% informatique pure (start up), ou réglementation médicament		
2016						

2015						
2014						
2013						

## Paris-Saclay-Evry – Master GENomics Informatics and Mathematics for Health and Environment – GENIOMHE

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme	Mme
Nom	BOUDET	TAHI
Prénom	Nathalie	Fariza
Email	nathalie.boudet@univ-evry.fr	fariza.tahi@univ-evry.fr
Statut académique	Maître de Conférences	Maître de Conférences - HDR
Rôle dans la formation	Responsable parcours GENIOMHE (M1)	Responsable parcours GENIOMHE (M2)
CNU (si applicable)		

### Descriptif de la formation

Institution	Université d'Evry-Val d'Essonne et Université Paris-Saclay
Localité	Evry
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Genomics, Informatics and Mathematics for Health and Environment
Mention	Bioinformatique
Acronyme	GENIOMHE
Parcours	GENIOMHE M1 et GENIOMHE M2
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<p>Mention : <a href="https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/bioinformatique">https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/bioinformatique</a></p> <p>Parcours M1 GENIOMHE : <a href="https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/m1-genio-mhe-genomics-informatics-and-mathematics-for-health-and-environment#presentation-m1">https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/m1-genio-mhe-genomics-informatics-and-mathematics-for-health-and-environment#presentation-m1</a></p> <p>Parcours M2 GENIOMHE : <a href="https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/m2-genomics-informatics-and-mathematics-for-health-and-environment-genio-mhe#presentation-m2">https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/m2-genomics-informatics-and-mathematics-for-health-and-environment-genio-mhe#presentation-m2</a></p>
Durée (années)	2 années (M1 et M2)
Langue des enseignements	Français en M1 et Anglais en M2
Année de fondation	La formation a ouvert à la rentrée 2015
Diplômes donnant accès/ publics visés	Pour le M1 : Niveau L3 en formation pluridisciplinaire Biologie Informatique ou niveau L3 Biologie avec des acquis en informatique ou L3 informatique avec des acquis en Biologie. Pour le M2 : niveau M1 de bioinformatique ou équivalent

Principales orientations thématiques	Analyse et modélisation des données biomédicales, médecine personnalisée, développement d'outils bioinformatiques pour la recherche académique, pour l'industrie des biotechnologies et les domaines pharmaceutique et de la santé.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	La première année du master ne comporte que des modules obligatoires car les étudiants sont recrutés après un cursus pluridisciplinaire. Le stage de M1 est obligatoire. A la fin du M1 les étudiants ont de fortes compétences théoriques et pratiques à la fois en informatique, en génomique et en statistiques. Des projets d'informatique et de bioinformatique appliqués à la génomique sont proposés. Le M2 est dispensé entièrement en anglais (semestre 1) avec un stage obligatoire (6 mois). L'enseignement implique des intervenants du monde de l'entreprise. Une part importante de l'enseignement se fait sous la forme de projets encadrés et de TP.
Relations avec l'entreprise	UE Enseignement Professionnel en M2 (S3) avec des interventions du monde de l'entreprise.

### Mots clés caractérisant votre formation

Médecine personnalisée, Big data, programmation parallèle, Apprentissage automatique, génomique, métagénomique, NGS, statistiques, algorithmique de séquences, algorithmique pour les grandes instances, bases de données, analyse de données, analyse de réseaux de régulation, bioinformatique des ARNs. ,Annotation structurale et fonctionnelle des génomes eucaryotes et procaryotes, génomique comparée, Genopole, IBISC, LaMME, Genoscope, Genethon, GenHotel, CEA, Integragen, IPS2.

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	16		13			
2016-2017	11	9	18	18		
2015-2016	14	13	14	12		
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	10	2	2	2
2016-2017	10	0	1	0
2015-2016	14	0	0	0
2014-2015				
2013-2014				
Total	34 (82,9%)	2 (4,9))	3 (7,3%)	2 (4,9%)

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	9	1	1	2
2016-2017	11	3	3	1
2015-2016	9	2	1	2
2014-2015				
2013-2014				
Total	29 (64,4%)	6 (13,3%)	5(11,1%)	5(11,1%)

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie Pour le M2	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	5		8	1		
2016	6		1	3		
2015						
2014						
2013						

## Paris-Saclay – Master de Bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris-Saclay
Localité	Evry / Orsay / Palaiseau
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master de Bioinformatique Responsable Orsay : LESPINET Olivier olivier.lespinet@i2bc.paris-saclay.fr
Mention	Bioinformatique
Acronyme	-
Parcours	M1 : parcours Bioinformatique et Biostatistiques (Orsay) M1 : parcours Genomics Informatics and Mathematics for Health and Environment (Evry) M2 : parcours Biologie Computationnelle : Analyse, Modélisation et Ingénierie de l'Information Biologique et médicale (Orsay) M2 : parcours Genomics Informatics and Mathematics for Health and Environment (Evry)
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/bioinformatique#mention">https://www.universite-paris-saclay.fr/fr/formation/master/bioinformatique#mention</a>  <a href="http://www.bibs.u-psud.fr/">http://www.bibs.u-psud.fr/</a> <a href="http://evryrna.ibisc.univ-evry.fr/GENIOMHE">http://evryrna.ibisc.univ-evry.fr/GENIOMHE</a>
Durée (années)	2 années
Langue des enseignements	Français et/ou Anglais
Année de fondation	2015
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence de Biologie, Licence d'Informatique, Licence de Mathématiques, Licence de Bioinformatique
Principales orientations thématiques	Bioinformatique des séquences Bioinformatique structurale Bioinformatique des systèmes Modélisation en biologie

	Analyse de données biomédicales massives (Big Data) Approches algorithmiques et combinatoires de données génomiques
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Le master de Bioinformatique assure la formation de spécialistes à l'interface de trois disciplines : Biologie, Informatique et Mathématiques. La formation pluridisciplinaire est axée sur les besoins en recherche et développement de haut niveau des entreprises et des organismes de recherche en bioinformatique, biostatistiques et biotechnologies.
Relations avec l'entreprise	

### Mots clefs caractérisant votre formation

Bioinformatique des séquences, Bioinformatique structurale, Bioinformatique des systèmes, Modélisation en biologie, Analyse de données biomédicales massives (Big Data), Approches algorithmiques et combinatoires de données génomiques, Biostatistiques, Méthodologie statistique et recherche clinique,

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Parcours BIBS et AMI2B uniquement

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	23		21			
2016-2017	24		29	28		
2015-2016	27		20	20		
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

parcours M2 AMI2B uniquement

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	95	5	0	0
2016-2017	93	7	0	0
2015-2016	100	0	0	0
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

parcours M1 BIBS uniquement

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	52	10	38	0
2016-2017	50	33	17	0
2015-2016	77	11	12	0
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

parcours AMI2B uniquement

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	5	3	14	5 (informatique)		1
2016	8		10			2
2015						
2014						
2013						

## Paris-Sorbonne Université – BioInformatique et Modélisation – BIM-BMC

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Le Crom
Prénom	Stéphane
Email	<a href="mailto:stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr">stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr</a>
Statut académique	Professeur des universités
Rôle dans la formation	Coresponsable de la spécialité BIM-BMC
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Sorbonne Université
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Bioinformatique et Modélisation
Mention	Biologie Moléculaire et Cellulaire
Acronyme	BIM
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Bioinformatique et Modélisation (BIM-BMC)
Site Web	<a href="http://www.lcqb.upmc.fr/BIM/">http://www.lcqb.upmc.fr/BIM/</a> ; <a href="http://www.master.bmc.upmc.fr/fr/02_M2/02_BioInfMod/">http://www.master.bmc.upmc.fr/fr/02_M2/02_BioInfMod/</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français en M1, Français et Anglais en M2
Année de fondation	2009
Diplômes donnant accès/ publics visés	Niveau M1 : titulaire d'une licence mention « Sciences de la Vie » ou équivalent, avec de bonnes aptitudes en informatique, statistiques et mathématiques. Niveau M2 : titulaire d'un M1 en sciences de la vie ou diplômé d'une école d'ingénieur avec des connaissances approfondies en informatique, statistiques et mathématiques.
Principales orientations thématiques	Biologie : structure et fonction des génomes, régulation, acides nucléiques ; Informatique : arbres et graphes, algorithmes, programmation et statistiques ; Mathématiques : systèmes dynamiques, modèles en neurosciences.

Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Les questions actuelles en biologie et en médecine nécessitent des compétences aux interfaces avec l'informatique et les mathématiques. Pour acquérir un bon niveau dans ces domaines, les départements de master « Biologie moléculaire et cellulaire », « Informatique » et « Mathématiques et applications » proposent un cursus construit dans une optique pluridisciplinaire. La spécialité « Bioinformatique & Modélisation » s'adresse à des étudiants de provenances diverses en sciences de la vie, informatique et mathématiques, en leur proposant des contenus communs et des enseignements adaptés à leurs cursus d'origine.
Relations avec l'entreprise	Pas de relation particulière mais la moitié des étudiants entrent sur le marché du travail à la fin du Master.

**Mots clefs caractérisant votre formation**

algorithmique, modélisation, programmation, projets, statistiques, mathématiques, phylogénie, génomique, transcriptomique, réseaux, systèmes dynamiques, biochimie structurale, séquençage à haut débit,

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	15		13			
2016-2017	15	15	15	15		
2015-2016	16	14	14	14		
2014-2015	17	12	10	10		
2013-2014	13	8	6	6		

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	13			
2016-2017	14	1		
2015-2016	12	2		
2014-2015	8	2		
2013-2014	4	2		
Total	51 (88%)	7 (12%)		

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	7	7		
2016-2017	14	1		
2015-2016	12	4		
2014-2015	10	1		1
2013-2014	9			1
Total	52 (78%)	13 (19%)		2 (3%)

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	5 (33%)		5 (33%)		4 (27%)	1 (7%)
2016	6 (46%)	2 (15%)	2 (15%)			3 (23%)
2015	1 (7%)		2 (14%)	3 (29%)	1 (7%)	6 (43%)
2014	1 (14%)		2 (29%)	2 (29%)	1 (14%)	1 (14%)
2013			2 (50%)		1 (25%)	1 (25%)

## Paris – Sorbonne Université – Master d’Informatique, parcours “Bioinformatique et Modélisation” – BIM-info

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Le Crom
Prénom	Stéphane
Email	<a href="mailto:stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr">stephane.le_crom@sorbonne-universite.fr</a>
Statut académique	Professeur des universités
Rôle dans la formation	Coresponsable de la spécialité BIM-BMC
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Sorbonne Université
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Bioinformatique et Modélisation
Mention	Master d’Informatique
Acronyme	BIM
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	BIM - info Responsables : Martin Weigt <a href="mailto:martin.weigt@upmc.fr">martin.weigt@upmc.fr</a> & Alessandra Carbone <a href="mailto:alessandra.carbone@lip6.fr">alessandra.carbone@lip6.fr</a>
Site Web	<a href="http://www.lcqb.upmc.fr/BIM/">http://www.lcqb.upmc.fr/BIM/</a> <a href="http://www-master.ufr-info-p6.jussieu.fr/lmd/">http://www-master.ufr-info-p6.jussieu.fr/lmd/</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français en M1, Français et Anglais en M2
Année de fondation	2009
Diplômes donnant accès/ publics visés	Informatique, mathématiques, physique, école d’ingénieur (candidats avec une formation en biologies vont en BIM-BMC)
Principales orientations thématiques	Biologie : génomique, bioinformatique des séquences, bioinformatique structurale, évolution et phylogénie ; Informatique : algorithmique, statistiques, apprentissage / machine learning ; Mathématiques : systèmes dynamiques, modèles en neurosciences.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Les questions actuelles en biologie et en médecine nécessitent des compétences aux interfaces avec l’informatique et les mathématiques. Pour acquérir un bon niveau dans ces domaines, les départements de master « Biologie moléculaire et cellulaire », « Informatique » et « Mathématiques et applications » proposent un cursus construit dans une optique pluridisciplinaire. Le parcours « Bioinformatique et Modélisation » s’adresse à des étudiants de provenances diverses en sciences de la vie (BIM-BMC), informatique (BIM-Info) et mathématiques (parcours BIMM), en leur

	proposant des contenus communs et des enseignements adaptés à leurs cursus d'origine.
Relations avec l'entreprise	Pas de relation particulière, les stages M1 et M2 sont souvent dans l'entreprise, 1/3 des étudiants entrent en entreprise à la fin des études.

#### **Mots clefs caractérisant votre formation**

Bioinformatique pour informaticiens; bioinformatique des séquences; apprentissage et intelligence artificielle; génomique comparative et évolutive; structure des protéines et des ARN; modélisation en biologie et neurosciences computationnelles; inférences statistiques

Laboratoire associé : LCQB - Biologie Quantitative et Computationnelle, Sorbonne Université  
Parcours intégré entre Master d'Informatique et Master de Biologie Moléculaire et Cellulaire

## Paris-ENS – Interdisciplinary Master in Life Sciences – IMaLiS

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	Thomas-Chollier
Prénom	Morgane
Email	mthomas@biologie.ens.fr
Statut académique	Maître de Conférence
Rôle dans la formation	Responsable d'UE Responsable de la formation : Denis Thieffry thieffry@ens.fr
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Ecole Normale Supérieure Paris / PSL Université Paris
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master en Sciences du Vivant
Mention	Master en Sciences du Vivant Interdisciplinary Master in Life Sciences
Acronyme	IMaLiS
Parcours	Biologie des systèmes, génomique et bioinformatique
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Néant
Site Web	<a href="http://www.gradprog.biologie.ens.fr/">http://www.gradprog.biologie.ens.fr/</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Anglais
Année de fondation	2017
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence + Etudiants en Médecine ou Pharmacie (3 <sup>e</sup> année) + écoles d'ingénieurs
Principales orientations thématiques (en M2)	Biologie des systèmes, génomique, bioinformatique Neurosciences (y compris Neurosciences computationnelles) Ecologie et évolution (y compris écologie/mathématique et approches computationnelles de l'évolution) Biologie fondamentale pour la Santé
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Apprentissage des concepts, méthodes et approches au coeur de la recherche en biologie contemporaine
Relations avec l'entreprise	Possibilités de double diplômes ingénieurs/master

### Mots clés caractérisant votre formation

Génétique, biologie cellulaire, développement, biologie des systèmes, génomique, génomique fonctionnelle, bioinformatique, transcriptomique, neurobiologie, neurosciences computationnelles, écologie, évolution, modélisation, biologie computationnelle, programmation, R, Python, analyse de données, génomique comparative, imagerie

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	30		20			
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Première accréditation en 2017-2018

#### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	10	7		3
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

#### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Poitiers – Master Ingénierie de la Santé, parcours Génie Physiologique Biotechnologique et Informatique – GPHY

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Poitiers
Localité	Poitiers
Niveau (Licence, Master, ...)	Master + L3 associé
Intitulé officiel	Master Génie Physiologique, Biotechnologique et informatique / L3 Genie-Bioinformatique
Mention	Ingénierie de la Santé (master) Science du Vivant (L3)
Acronyme	GPHY
Parcours	Génie-Bio-informatique (L3) - Génie Physiologique, Biotechnologique et Informatique (Master) Responsable : FOUSSE Allan <a href="mailto:allan.fousse@univ-poitiers.fr">allan.fousse@univ-poitiers.fr</a>
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	
Durée (années)	3 années
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	1973
Diplômes donnant accès/ publics visés	L2 Biologie – IUT ABB, IAB, Bio-info – BTS – Classes prépas BCPST
Principales orientations thématiques	Double compétence biologie et informatique - Informatique pour la biologie – Gestion de projet
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Préparer les étudiants à être cadres dans les entreprises du secteur de la santé. Les former à toutes les facettes des projets incluant des outils informatiques, aussi bien au niveau du développement que de la qualité, de la validation, des aspects fonctionnels, du consulting.
Relations avec l'entreprise	Stages en L3 (3 mois), M1 (3 mois) et M2 (6 mois) dans les entreprises partenaires. implications des acteurs du secteur dans la formation – M2 ouvert à l'alternance

### Mots clés caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	56		52			
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Rennes – Master Bioinformatique

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Dameron
Prénom	Olivier
Email	<a href="mailto:olivier.dameron@univ-rennes1.fr">olivier.dameron@univ-rennes1.fr</a>
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	Responsable mention
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Rennes 1
Localité	Rennes
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Master Bioinformatique
Mention	Bioinformatique
Acronyme	
Parcours	Analyse de Données Génomiques (ADG) Informatique et Biologie Intégrative (IBI) Bioinformatique pour la Santé (BIS)
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://bioinfo-rennes.fr">http://bioinfo-rennes.fr</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français (60%) et Anglais (40%)
Année de fondation	2000
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence de Biologie ; Licence d'Informatique ; Licence de Mathématiques ; Licence de Bioinformatique ou Biomathématiques ; Étudiants de Médecine et internes (parcours BIS) ; Étudiants ENSAI
Principales orientations thématiques	Sciences des données biologiques et génomiques à l'interface de la santé, de l'environnement, des données massives et des technologies de l'information : programmation impérative et orientée objet, biologie systémique, statistiques sous R (statistiques descriptives et inférentielles, modèles linéaires simples et multiples, modèles bayésiens), outils d'exploration de données massives (SQL et NoSQL, RDF, SPARQL, OWL...), méthodes d'analyse de données NGS. .
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Former des ingénieurs ou futurs doctorants capables de post-traiter et d'analyser des données ultra-haut débit de génomique, transcriptomique,

	épigénétique etc (Parcours ADG) ; Former des ingénieurs ou futurs doctorants capables de développer de nouveaux outils pour le traitement des données massives en génomique ou santé (Parcours IBI) ; Former des médecins aux techniques d'analyse de données massives en santé (Parcours BIS)
Relations avec l'entreprise	Tables rondes organisées régulièrement avec la participation d'intervenants du secteur privé.

### Mots clefs caractérisant votre formation

Bioinformatique, génomique science des données, santé, biologie des systèmes

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	42		31			
2016-2017	38	23	19	18		
2015-2016	26	13	36	34		
2014-2015	38	30	20	20		
2013-2014	34	18	15	14		

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	17	3	14	4
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	26	5	0	0
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	7	1	7	1	1	2
2016	9	1	7	3	1	8
2015	10	1	12	1	0	
2014	6	0	7	0	1	
2013	4	0	7	0	0	

## Rouen – Master Bio-Informatique – BIMS

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	DAUCHEL
Prénom	Hélène
Email	Helene.dauchel@univ-rouen.fr
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	Responsable de la formation
CNU (si applicable)	64è

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Rouen Normandie
Localité	Rouen
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	<b>Mention Bio-Informatique parcours BioInformatique Modélisation et Statistique (BIMS).</b>
Mention	Bio-Informatique
Acronyme	BIMS
Parcours	BioInformatique Modélisation et Statistique (BIMS)
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://masterbioinfo.univ-rouen.fr/">http://masterbioinfo.univ-rouen.fr/</a>
Durée (années)	3 ans
Langue des enseignements	Langue française
Année de fondation	Habilitation juin 1998 ouverture septembre 1999
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence de Biologie (SV ou SVT selon les universités), certaines Licences professionnelles, Licence de Mathématiques et Licence d'Informatique.
Principales orientations thématiques	Le programme est à la fois disciplinaire (sciences omiques et biologie structurale, informatique, statistiques et mathématiques), pluridisciplinaire (sciences bioinformatiques) et généraliste abordant les différents aspects du domaine (bioinformatique moléculaire, fonctionnelle, structurale, intégrative).
Objectifs pédagogiques ( <i>2-3 lignes</i> )	Formation de futurs doctorant-es et d'ingénieur-es bioinformaticien-nes ou biostatisticien-nes.
Relations avec l'entreprise	Le niveau M2 se déroule en deux ans par alternance sous contrat d'apprentissage ou de professionnalisation.

## Mots clés caractérisant votre formation

alternance  
apprentissage

## Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année =M1	Diplômés 1ère année = M1 validé	Inscrits 2ème année = M2.1	Diplômés 2ème année = M2.1 validé	Inscrits 3ème année (licences) = M2.2	Diplômés 3ème année (licences) = diplômés master
2017-2018	11		10		10	
2016-2017	13	11	10	9 <sup>3</sup>	7	6 <sup>2</sup>
2015-2016	11	11	9	7 <sup>1</sup>	10	10
2014-2015	11	11	11	10 <sup>3</sup>	1 <sup>2</sup>	1
2013-2014	11	11	non ouvert		11	9 <sup>1,2</sup>

<sup>1</sup> abandon pour raison de santé

<sup>2</sup> aménagement d'études au titre du handicap

<sup>3</sup> abandon pour emploi info/bioinfo

## Origine des étudiants entrants

Niveau : M2.2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	10			
2016-2017	7			
2015-2016	10			
2014-2015	1			
2013-2014	11			
Total 39	39 (100%)	(%)		

Niveau : M2.1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	10			
2016-2017	9		1	
2015-2016	9			
2014-2015	11			
2013-2014	non ouvert	non ouvert	non ouvert	non ouvert
Total 40	39 (97.50%)	(%)	1 (2.50%)	

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	6		5	
2016-2017	7	1	4	1
2015-2016			7	4
2014-2015	7		3	1
2013-2014	3		8	
Total 57	23 (40,35%)	1 (1,75 %)	27 (47,40%)	6 (10,50%)

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	1	1	4			
2016	3		7			
2015			1			
2014	3		6			
2013	2		7			

## Strasbourg – Biologie structurale intégrative et bioinformatique – BSIB

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	WURTZ
Prénom	Jean-Marie
Email	Jeanmarie.wurtz@unistra.fr
Statut académique	Prof
Rôle dans la formation	Directeur des études
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	Faculté des Sciences de la Vie
Localité	Strasbourg
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Sciences du Vivant, Biologie structurale intégrative et bioinformatique
Mention	Sciences du Vivant
Acronyme	BSIB
Parcours	Biologie structurale intégrative et bioinformatique
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	bsib.unistra.fr
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français principal, Anglais
Année de fondation	15 ans
Diplômes donnant accès/ publics visés	Licence de biologie, Licences en sciences avec pré-requis
Principales orientations thématiques	Biologie structurale, bioinformatique, génie bioinformatique, modélisation moléculaire,
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	<p>L'analyse des données de la biologie à différentes échelles, de la molécule à l'organisme. Une partie importante de l'enseignement est consacrée aux aspects moléculaires des processus biologiques (structure et dynamique des macromolécules, propriétés bio-physico-chimiques, interactions entre partenaires) ainsi qu'aux différentes méthodes permettant l'étude de ces molécules dans les différents contextes cellulaires où elles interviennent. Ces méthodes se caractérisent par une quantité massive d'information, qui nécessite l'utilisation d'outils informatiques adaptés et innovants. Dans cette optique, un certain nombre d'unités d'enseignement permettront de développer des compétences transversales dans les domaines de :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• la biophysique,</li> <li>• l'analyse des séquences,</li> <li>• la gestion et l'organisation des données,</li> </ul>

	<ul style="list-style-type: none"> <li>• la modélisation des systèmes multi-échelles ou encore</li> <li>• l'élaboration de stratégies d'expérimentation à haut débit.</li> <li>• La formation se décline en deux parcours complémentaires: un parcours "biologie structurale intégrative et bioinformatique" ainsi qu'un parcours "biotechnologie à haut-débit".</li> </ul>
Relations avec l'entreprise	1/3 des stages se fait en entreprise.

### Mots clés caractérisant votre formation

À remplir

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						



## Toulouse – Master Bioinformatique et Biologie des Systèmes

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mr
Nom	Barriot
Prénom	Roland
Email	barriot@ibcg.biotoul.fr
Statut académique	MCU
Rôle dans la formation	Responsable année master 1
CNU (si applicable)	65

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paul Sabatier
Localité	Toulouse
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Domaine Sciences, Technologies, Santé
Mention	Bioinformatique
Acronyme	
Parcours	Bioinformatique et Biologie des Systèmes
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://bioinformatique.univ-tlse3.fr">http://bioinformatique.univ-tlse3.fr</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	1999 : Master 2 professionnel de Bioinformatique de Toulouse 2011-2012 passage à une formation de Master en deux années (spécialité dans une autre mention Microbiologie-AgroBiosciences-Bioinformatique et Biologie des Systèmes) 2016-2017 : création de la mention Bioinformatique
Diplômes donnant accès/ publics visés	Etudiants possédant une licence en Biologie ou en Informatique
Principales orientations thématiques	Notre formation est plus particulièrement axée sur les méthodes de traitement et d'intégration des données issues des approches globales à haut débit utilisées dans les domaines de la génomique et de la post-génomique ainsi que sur la modélisation et la simulation des réseaux biologiques. Elle propose aussi un enseignement en Génétique Statistique
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	former des étudiants possédant d'importantes capacités multidisciplinaires, biologie, informatique et mathématiques aussi bien au niveau théorique que pratique par de nombreuses mise en situation
Relations avec l'entreprise	Grandes sociétés semencières (Biogemma, Syngenta), pharmacologiques (Sanofi, Pierre Fabre), sociétés innovantes en biotechnologies (Sycomore Technologies, Vaiomer)

## Mots clefs caractérisant votre formation

BIOINFORMATIQUE, GENOMIQUE, BIOLOGIE DES SYSTEMES

Systems biology, simulation, modélisation, inférence, reconstruction, Gene regulatory network

Traitement des données post-génomiques, NGS, Assemblage, RNAseq, sRNAseq, ChipSeq, Protéomique, Métabolomique

Intégration de données hétérogènes, Priorisation de gènes candidats, Recherche d'enrichissement, Evolution moléculaire, Phylogénomique

Fouille de données, apprentissage automatique, Data mining, Machine learning

Génomique quantitative, Génétique quantitative

Mathématiques, Statistiques, Analyses Multivariées

## Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	22		17			
2016-2017	28	20	11	10		
2015-2016	18	10	16	15		
2014-2015	21	16	17	17		
2013-2014	22	17	12	12		

## Origine des étudiants entrants

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	20	1		1
2016-2017	25	1	2	
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	18			
2016-2017	10			1
2015-2016	16			
2014-2015	17			
2013-2014	12			
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	5					
2016						
2015						
2014						
2013						

## Lyon – Bioinformatique & Modélisation – BIM

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	Mme
Nom	KNIBBE
Prénom	Carole
Email	carole.knibbe@insa-lyon.fr
Statut académique	MCF
Rôle dans la formation	Directrice du parcours BIM
CNU (si applicable)	27

### Descriptif de la formation

Institution	INSA LYON
Localité	LYON
Niveau (Licence, Master, ...)	Ingénieur: L3 + Master
Intitulé officiel	BioSciences
Mention	Bioinformatique et Modélisation
Acronyme	BIM
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://biosciences.insa-lyon.fr/">http://biosciences.insa-lyon.fr/</a>
Durée (années)	3
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2000
Diplômes donnant accès/ publics visés	Premier cycle préparatoire INSA, classes préparatoires, DUT, L2/L3, BTS
Principales orientations thématiques	Ingénieur généraliste INSA en biosciences avec un focus en -omics, biostatistiques, biomathématiques et développement informatique.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Former des ingénieurs à l'interface biologie, mathématiques et informatique pour développer des programmes de R&D et production pour les entreprises de la santé, de l'environnement et de l'agroalimentaire.
Relations avec l'entreprise	Conférences métiers, interventions d'industriels dans les programmes, stages, parrainages de promotions

### Mots clefs caractérisant votre formation

Bioinformatique, génomique, transcriptomique, protéomique, biochimie, génétique, biologie cellulaire, biostatistiques, biomathématiques, modélisation, systèmes dynamiques, développement logiciel

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année	Diplômés 3ème année

	(3BIM = niveau L3)		(4BIM = niveau M1)		(5BIM = niveau M2)	(5BIM = niveau M2)
2017-2018	26		26		26	
2016-2017	26	0	26	0	28	27
2015-2016	26	0	27	0	25	25
2014-2015	26	0	27	0	24	23
2013-2014	26	0	25	0	27	27

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	26	Les données dont nous disposons ne font pas la distinction entre "régional" et "national"	0	0
2016-2017	28		0	0
2015-2016	25		0	0
2014-2015	24		0	0
2013-2014	27		0	0
Total	130 (100 %)		0 (0%)	0 (0%)

Niveau : M1 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	25	Les données dont nous disposons ne font pas la distinction entre "régional" et "national"	0	1
2016-2017	26		0	0
2015-2016	27		0	0
2014-2015	26		0	1
2013-2014	25		0	0
Total	129 (98.4%)		0 (0 %)	2 (1.6 %)

Niveau : L3 Année	Étudiants de l'établissement *	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	14	Les données dont nous disposons ne font pas la distinction entre "régional" et "national"	12	0
2016-2017	15		11	0
2015-2016	19		7	0
2014-2015	17		9	0
2013-2014	20		6	0
Total	85 (65 %)		45 (35%)	0 (0 %)

\* Sont considérés comme internes à l'établissement les étudiants provenant du premier cycle de l'INSA de Lyon, mais aussi les étudiants provenant du groupe INSA en général. Cette colonne inclut donc aussi les étudiants provenant du premier cycle d'un autre établissement du groupe INSA (INSA de Toulouse ou de Rouen par exemple) ou ayant effectué un "premier

*cycle INSA à l'étranger" (partenariats avec l'UFPR Universidade Federal do Paraná au Brésil, l'Universitat Jaume I en Espagne, Politecnico de Turin en Italie, et l'Universidad Autónoma de Nuevo León au Mexique).*

### Devenir des étudiants diplômés

Les chiffres indiqués sont ceux obtenus par une enquête menée dans le cadre de la Conférence des Grandes Ecoles. Cette enquête est effectuée chaque année en mars-avril auprès de la dernière promotion diplômée (par exemple, pour la promotion sortie en juillet 2016, l'enquête est effectuée en mars-avril 2017).

Année de sortie	Poursuite d'études en thèse	Poursuite d'études hors thèse	Insérés en bioinformatique *	Insérés hors bioinformatique *	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	<i>enquête en cours</i>					
2016	12.5 %	4.2 %	54.1 %		8.3 %	21.0 %
2015	13.0 %	8.7 %	74.0 %		0 %	4.3 %
2014	37.0 %		45.4 %		17.6 %	0.0 %
2013	28.6 %		48.2 %		18.4 %	4.8 %

*\*Les données de l'enquête ne permettent pas d'obtenir exactement les proportions demandées. On peut savoir d'une part le pourcentage de répondants insérés (reportés dans le tableau ci-dessus), et d'autre part le pourcentage de diplômés, incluant les doctorants, qui jugent leur emploi en adéquation avec leur formation. 58 % des répondants de la promotion 2016, 81 % des répondants de la promotion 2015, 73 % des répondants de la promotion 2014, et 80 % des répondants de la promotion 2013 jugent leur emploi en adéquation avec leur formation.*

## Nice – Polytech’Nice Génie Biologique – EPU\_BIMB

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Comet
Prénom	Jean-Paul
Email	comet@unice.fr
Statut académique	PR
Rôle dans la formation	Responsable du parcours “Bio-Informatique et Modélisation pour la Biologie” au sein du département Génie Biologique
CNU (si applicable)	27

### Descriptif de la formation

Institution	Polytech’Nice
Localité	Sophia-Antipolis
Niveau (Licence, Master, ...)	Ecole d’ingénieur
Intitulé officiel	
Mention	Génie Biologique
Acronyme	
Parcours	BIMB (Bio-Informatique et Modélisation pour la Biologie)
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://www.polytechnice.fr/BIMB.html">http://www.polytechnice.fr/BIMB.html</a>
Durée (années)	3 (le parcours commence au milieu de la seconde année du cycle d’ingénieur)
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2008
Diplômes donnant accès/ publics visés	Classes préparatoires (Bio, Maths, Physique ou Chimie), L2, IUT, BTS... Des modules de remise à niveau en “Maths / Biologie / travaux pratiques de biologie” sont réalisés en début de cycle d’ingénieur au choix suivant la formation d’origine du candidat
Principales orientations thématiques	Le parcours BIMB apporte différentes compétences supplémentaires à des biologistes de formation : algorithmique et programmation, systèmes informatiques, systèmes d’information, biologie à grande échelle, extraction de connaissances, et systèmes biologiques complexes.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	Cette option forme des biologistes qui dominent les deux langages, celui de la biologie et celui de l’informatique. Cette double compétence est non seulement un atout pour les interactions avec les métiers de l’informatique mais permettra aussi aux futurs ingénieurs d’animer une équipe sur un projet pluridisciplinaire.

Relations avec l'entreprise	Oui : Intervenants, stages en entreprise (5 semaines en première année, 3 mois en seconde année, 6 mois en dernière année), projet intelligence artificielle
-----------------------------	--

### Mots clés caractérisant votre formation

Modélisation des systèmes biologiques complexes. Etude de la dynamique de ces systèmes.  
Systèmes d'information, biologie à grande échelle, extraction de connaissances.

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année GB3	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année GB4	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année GB5	Diplômés 3ème année (ingénieurs)
2017-2018	environ 45		14		6	
2016-2017	environ 45		7	6	10	10
2015-2016	environ 45		10	10	7	7
2014-2015	environ 45		9	7	10	10
2013-2014	environ 45		10	10	9	9

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

**Le recrutement se fait au niveau national sur concours. Le pourcentage d'étudiants issus d'une formation d'une autre région est grand (toujours supérieur à 80%).**

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Créteil – Institut Supérieur de BioSciences de Paris

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	
Nom	
Prénom	
Email	
Statut académique	
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris-Est, Créteil
Localité	Créteil
Niveau (Licence, Master, ...)	Licence/Master
Intitulé officiel	Institut Supérieur de BioSciences de Paris
Mention	Diplôme d'ingénieur
Acronyme	ISBS
Parcours	Responsable : Mestivier Denis <a href="mailto:denis.mestivier@u-pec.fr">denis.mestivier@u-pec.fr</a>
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	Biomédicament/Bioinformatique
Site Web	<a href="https://isbs.fr/">https://isbs.fr/</a>
Durée (années)	3 années
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	
Diplômes donnant accès/ publics visés	
Principales orientations thématiques	Cette formation habilitée par la Commission des titres d'ingénieur (CTI) et labellisée par la pôle de compétitivité Medicen forme des ingénieurs capables de s'intégrer dans des équipes de Recherche & Développement pluridisciplinaires associant les « sciences du vivant » et les « sciences de l'ingénieur » dans le domaine des sciences biomédicales et pharmaceutiques : bio-informatique, bio-électronique, nano-biotechnologie, bio-matériaux, bio-imagerie, systèmes intégrés pour la biologie et la médecine.
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	
Relations avec l'entreprise	

### Mots clés caractérisant votre formation

Bio-informatique, Data Mining, Biomédecine, Génomique, Séquençage à Haut débit

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inscrits en bioinformatique	Inscrits hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## CNAM – Certificat de compétences bioinformatique – CC6500A

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	MONTES
Prénom	Matthieu
Email	matthieu.montes@cnam.fr
Statut académique	PU
Rôle dans la formation	
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	CNAM
Localité	Paris - régions
Niveau (Licence, Master, ...)	licence
Intitulé officiel	Certificat de compétences Bio-informatique
Mention	
Acronyme	
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/certificat-de-competece-bio-informatique-200479.kjsp">http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/certificat-de-competece-bio-informatique-200479.kjsp</a>
Durée (années)	1.5
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	
Diplômes donnant accès/ publics visés	Niveau bac+2 minimum (1er cycle universitaire, BTS, DUT, licence, maîtrise)
Principales orientations thématiques	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Capacité d'exploitation des principaux logiciels et banques de données déjà disponibles sur Internet.</li> <li>- Acquisition d'une compétence au développement et déploiement d'applications pour répondre aux problématiques posées par le traitement des données biologiques.</li> </ul>
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Initier l'auditeur aux problématiques bio-informatiques liées à l'émergence des nouvelles biotechnologies</li> <li>• Donner à l'auditeur la connaissance et les moyens pour utiliser les logiciels existants sur le Web qui permettent déjà de traiter de manière puissante les données biologiques générées par les nouvelles biotechnologies (bases de données, logiciels de traitement de séquence, logiciels statistiques)</li> <li>• Au delà de sa capacité à savoir utiliser les outils existants, l'auditeur sera initié au développement informatique pour solutionner les problématiques biologiques posées</li> </ul>

	<p>(développement et déploiement d'applications et intégration de logiciels) du type des analyses génomiques ou protéomiques.</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• L'objectif de cette formation est donc de former des biologistes/informaticiens intéressés par une qualification complémentaire en bio-informatique pour répondre à l'émergence des besoins nouveaux dans les domaines des biotechnologies.</li> </ul>
Relations avec l'entreprise	

### Mots clés caractérisant votre formation

Formation professionnelle, bases d'informatique, initiation à la programmation, algorithmique de la bioinformatique, applications de la bioinformatique, biostatistiques

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	25					
2016-2017	25					
2015-2016	25					
2014-2015	25					
2013-2014	25					

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## CNAM – Licence Professionnelle bioinformatique – LP10101A

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	MONTES
Prénom	Matthieu
Email	matthieu.montes@cnam.fr
Statut académique	PU
Rôle dans la formation	co-responsable du diplôme
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	CNAM
Localité	Paris - régions
Niveau (Licence, Master, ...)	Licence
Intitulé officiel	Licence professionnelle Sciences, technologie, santé mention bio-industries et Biotechnologies Parcours Bio-informatique
Mention	
Acronyme	
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/licence-professionnelle-bioinformatique-813184.kjsp">http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/licence-professionnelle-bioinformatique-813184.kjsp</a>
Durée (années)	2
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	
Diplômes donnant accès/ publics visés	<p>Titulaires d'un diplôme de type Bac+2 dans la biologie/biochimie et qui, à cause des progrès des biotechnologies, sont aujourd'hui quotidiennement confrontés à la Bio-informatique sans l'avoir jamais apprise.</p> <p>Les enseignements dispensés leur permettront de gérer au mieux l'évolution actuelle de leur métier.</p> <p>Les étudiants ayant une formation de type L1/L2 pourront s'inscrire en licence professionnelle de bio-informatique si leur profil est équivalent à celui des traditionnels Bac+2 en biologie/biochimie.</p> <p>Ils devront avoir reçu l'équivalent d'une formation de base en Biochimie (au moins 60 heures), en biologie cellulaire et moléculaire (au moins 60 heures), et en physiologie (au moins 60 heures).</p>
Principales orientations thématiques	Dans le cadre de ces structures et missions, il développe ses capacités et compétences dans les fonctions suivantes où il se montre capable de :

	<ul style="list-style-type: none"> <li>- appliquer des méthodes d'analyse et de diagnostic des besoins clients (analyse de la valeur, groupes d'utilisateurs...) et créer un projet correspondant à cette demande (prédiction de gènes, création d'un logiciel),</li> <li>- gérer les données de biologie moléculaire et cellulaire à partir des protocoles mis en place (application de la génomique structurale et fonctionnelle),</li> <li>- participer à la conception de nouveaux outils informatiques destinés à l'analyse in silico (prédiction de gènes, de structures, d'interactions...), à l'analyse de données d'expression (transcriptome, protéome...) et à la modélisation de processus cellulaires et réseaux moléculaires),</li> <li>- intégrer des sources hétérogènes dans les bases de données (nomenclature, analyse de textes, ontologies...),</li> <li>- développer des applications spécifiques (installation, paramétrage et diffusion d'applications généralistes),</li> <li>- diffuser et mettre à jour des banques de données en repérant les redondances et complémentarités des données et en gérant leur cohérence,</li> <li>- développer des interfaces utilisateurs pour l'aide à l'analyse et à l'extraction des connaissances,</li> <li>- assurer une veille technique portant sur l'évolution des biotechnologies et des réglementations du secteur (création d'une liste documentaire et de rapports ou de synthèses documentaires sur des sujets scientifiques, application des méthodes de recherche bibliographique, rédaction de documents techniques en anglais et en français, organisation de la diffusion de cette veille à partir des intranets et des circuits de production et de recherche externes).</li> </ul>
<p>Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Être initié aux problématiques bio-informatiques liées à l'émergence des nouvelles biotechnologies</li> <li>• Connaître les moyens pour utiliser les logiciels existants sur le Web qui permettent déjà de traiter de manière puissante les données biologiques générées par les nouvelles biotechnologies (bases de données, logiciels de traitement de séquence, logiciels statistiques)</li> <li>• Maîtriser les bases du développement informatique pour solutionner les problématiques posées par les nouvelles biotechnologies (développement et déploiement d'applications et intégration de logiciels) du type des analyses génomiques ou protéomiques.</li> </ul>
<p>Relations avec l'entreprise</p>	

### Mots clefs caractérisant votre formation

Formation professionnelle, bases d'informatique, initiation à la programmation, algorithmique de la bioinformatique, applications de la bioinformatique, biostatistiques, projet tuteuré, stage 3 mois

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016	23					
2014-2015	8					
2013-2014	9					

### Origine des étudiants entrants

Niveau : BTS Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

Niveau : L2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## CNAM – Diplôme d'ingénieur spécialité bioinformatique – CYC8200A

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	MONTES
Prénom	Matthieu
Email	matthieu.montes@cnam.fr
Statut académique	PU
Rôle dans la formation	co-responsable du diplôme
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	CNAM
Localité	Paris, déployable en régions
Niveau (Licence, Master, ...)	Master
Intitulé officiel	Diplôme d'ingénieur du CNAM, spécialité bioinformatique
Mention	
Acronyme	
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/diplome-d-ingenieur-specialite-bio-informatique-987509.kjsp?RF=newcat_themes">http://formation.cnam.fr/rechercher-par-discipline/diplome-d-ingenieur-specialite-bio-informatique-987509.kjsp?RF=newcat_themes</a>
Durée (années)	4+
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2013
Diplômes donnant accès/ publics visés	Bac+2/Bac+3 en biologie, biochimie, chimie ou informatique
Principales orientations thématiques	

<p>Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)</p>	<p>L'ingénieur diplômé de l'Ecole d'Ingénieurs du Conservatoire National des Arts et Métiers, spécialité Bio-informatique peut intervenir dans de nombreux domaines d'application dans le secteur pharmaceutique/cosmétique/biotechnologique/agroalimentaire car il doit dorénavant intégrer la bio-informatique dans son travail quotidien pour traiter les données de plus en plus massives produites par ces secteurs. Il intervient principalement en Recherche et développement mais peut également intervenir en production. Il exerce ses missions dans les grands groupes pharmaceutiques, cosmétiques ou agroalimentaires, les PME/PMI, les start up de biotechnologie ainsi que dans les laboratoires académiques (INSERM, CNRS, INAR, INRIA..).</p> <p>L'objectif de cette formation est d'assurer une formation scientifique, technique et humaine de haut niveau en bio-informatique et notamment dans le domaine des " biotechnologies " et d'élaborer une complémentarité avec les acquis d'une expérience professionnelle souvent longue et riche des élèves. Cette formation assure ainsi un lien entre le savoir-faire du technicien et le savoir-concevoir de l'ingénieur, mais aussi de participer au processus d'innovation de la conception à la réalisation.</p>
<p>Relations avec l'entreprise</p>	

#### Mots clefs caractérisant votre formation

Formation professionnelle, reconversion en informatique, bioinformatique structurale, mathématiques pour la génomique, nouvelles technologies et leurs applications,

#### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018						
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

#### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Paris – DU Création, analyse et valorisation de données biologiques omiques

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M
Nom	Cosson
Prénom	Bertrand
Email	bertrand.cosson@univ-paris-diderot.fr
Statut académique	Professeur
Rôle dans la formation	Responsable et enseignant
CNU (si applicable)	64

### Descriptif de la formation

Institution	Université Paris Diderot
Localité	Paris
Niveau (Licence, Master, ...)	Diplôme Universitaire
Intitulé officiel	Création, analyse et valorisation de données biologiques omiques
Mention	
Acronyme	DU omiques
Parcours	
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	
Site Web	<a href="https://omics-school.net/">https://omics-school.net/</a>
Durée (années)	1
Langue des enseignements	français
Année de fondation	2018
Diplômes donnant accès/ publics visés	Niveau Licence minimum en situation professionnelle avec une expérience expérimentale haut débit (génomique, transcriptomique, protéomique), après pré sélection sur dossier et entretien oral.
Principales orientations thématiques	Plan d'expérience et génération de données omiques Gestion de données et reproductibilité des analyses Outils statistiques Automatisation du processus d'analyse de données Présentation et valorisation des résultats pour publication
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	A l'issue de la formation, le professionnel est capable de : 1) Définir un plan d'expérience et choisir le(s) méthode(s) de génération de données omiques 2) Gérer des données et garantir la reproductibilité des analyses; 3) Appliquer les outils statistiques adaptés à l'analyse des données omiques; 4) Automatiser le processus d'analyse de données (création de workflows); 5) Présenter et valoriser les résultats pour publication.

Relations avec l'entreprise	La formation vise aussi bien des personnels du secteur public que du secteur privé.
-----------------------------	---

### Mots clefs caractérisant votre formation

Omiques - Gestion de données - Traçabilité et reproductibilité - Outils statistiques - Automatisation - Visualisation et Représentation des données - Échange de données - Workflow et pipeline - Machine learning - Réseau biologique - Unix - R - Galaxy.

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	16	en cours				
2016-2017						
2015-2016						
2014-2015						
2013-2014						

### Origine des étudiants entrants

Niveau : HDR Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018	2	1	4	
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

Niveau : Thèse Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018		4	1	
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine

2017-2018	2	1	1	
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Insérés en bioinformatique	Insérés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017						
2016						
2015						
2014						
2013						

## Dijon – DU Séquençage haut-débit et maladies génétiques – DU SHD

### Représentant de la formation à REBIF

Titre (M, Mme)	M.
Nom	Duffourd
Prénom	Yannis
Email	yannis.duffourd@u-bourgogne.fr
Statut académique	Ingénieur de recherche
Rôle dans la formation	Responsable pédagogique
CNU (si applicable)	

### Descriptif de la formation

Institution	Université de Bourgogne
Localité	Dijon
Niveau (Licence, Master, ...)	DU
Intitulé officiel	DU Séquençage haut-débit et maladies génétiques
Mention	n/a
Acronyme	DU SHD
Parcours	n/a
Spécialités ( <i>si applicable</i> )	n/a
Site Web	<a href="https://sefca-umdpcs.u-bourgogne.fr/nos-formations/pole-genetique/du-sequençage-haut-debit-et-maladies-genetiques.html">https://sefca-umdpcs.u-bourgogne.fr/nos-formations/pole-genetique/du-sequençage-haut-debit-et-maladies-genetiques.html</a>
Durée (années)	1
Langue des enseignements	Français
Année de fondation	2013
Diplômes donnant accès/ publics visés	Médecin généticiens, biologistes, techniciens, ingénieurs
Principales orientations thématiques	Formation aux technologies du séquençage à haut-débit, initiation à la bioinformatique
Objectifs pédagogiques (2-3 lignes)	La formation a pour but d'initier les professionnels de santé à a bioinformatique dédiée au séquençage à haut-débit. Elle est principalement orientée recherche et interprétation de variants reliés à une pathologie humaine
Relations avec l'entreprise	Aucune

### Mots clés caractérisant votre formation

Séquençage à haut-débit, bioinformatique, génétique médicale, maladies rares, python, linux, santé

### Nombre d'inscriptions et de diplômes délivrés

Année	Inscrits 1ère année	Diplômés 1ère année	Inscrits 2ème année	Diplômés 2ème année	Inscrits 3ème année (licences)	Diplômés 3ème année (licences)
2017-2018	20					
2016-2017	20	20				
2015-2016	20	20				
2014-2015	20	19				
2013-2014	20	20				

### Origine des étudiants entrants

Niveau : M2 Année	Étudiants de l'établissement	Étudiants de formations régionales	Étudiants de formations nationales	Étudiants de formations hors du pays d'origine
2017-2018				
2016-2017				
2015-2016				
2014-2015				
2013-2014				
Total	(%)	(%)		

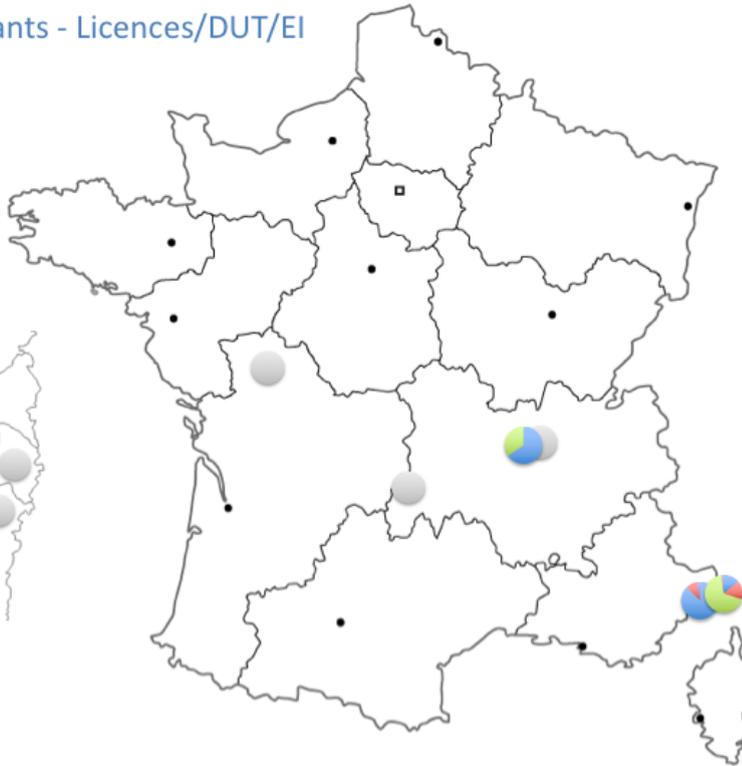
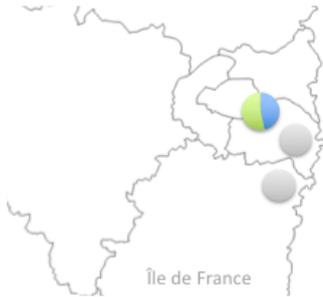
### Devenir des étudiants diplômés

Année de sortie	Poursuite d'études dans la filière	Poursuite hors filière	Inserés en bioinformatique	Inserés hors bioinformatique	En recherche d'emploi	Absence de réponses
2017	20					
2016	20					
2015	20					
2014	19	1				
2013	18		2			

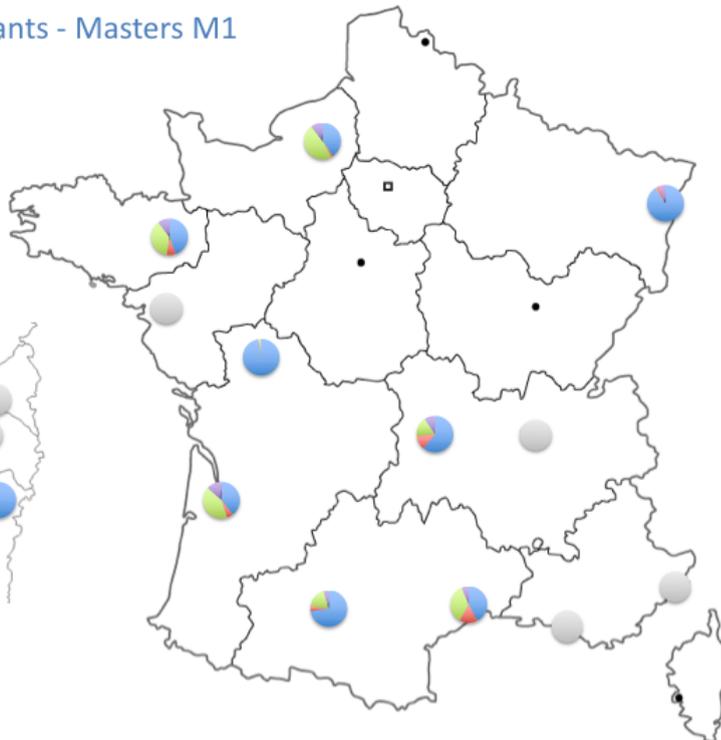
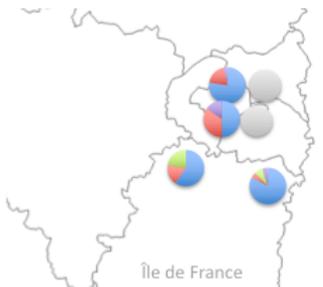
# Flux d'étudiants

## Flux des étudiants entrants

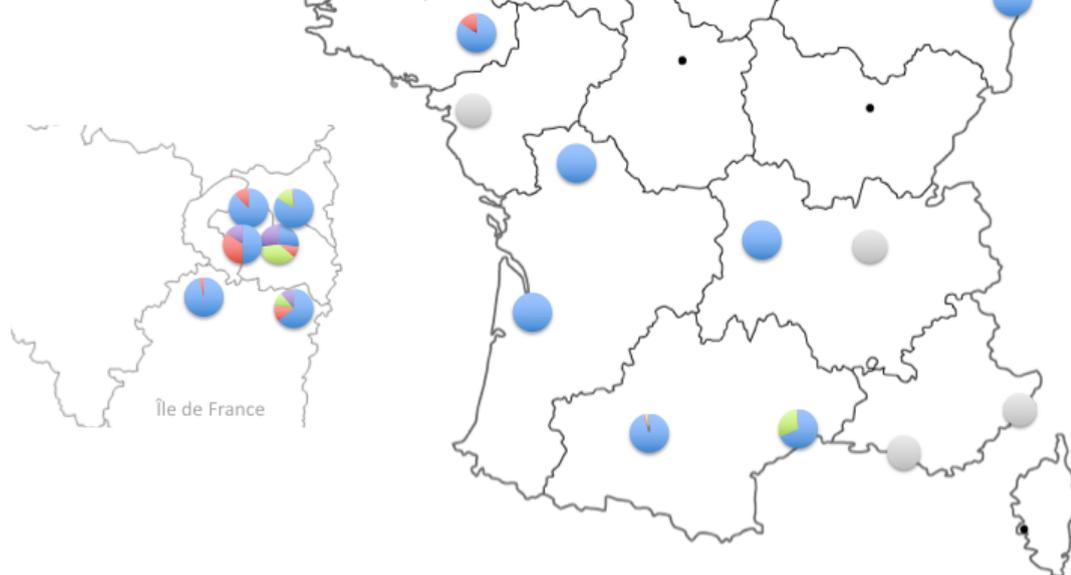
### Flux étudiants entrants - Licences/DUT/EI



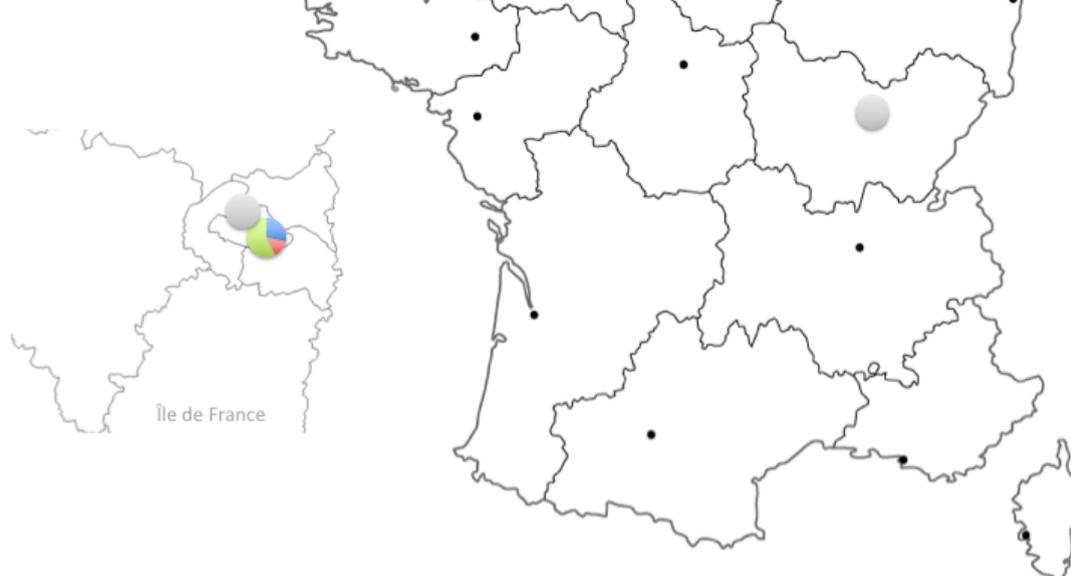
### Flux étudiants entrants - Masters M1



## Flux étudiants entrants - Masters M2



## Flux étudiants entrants - Autres



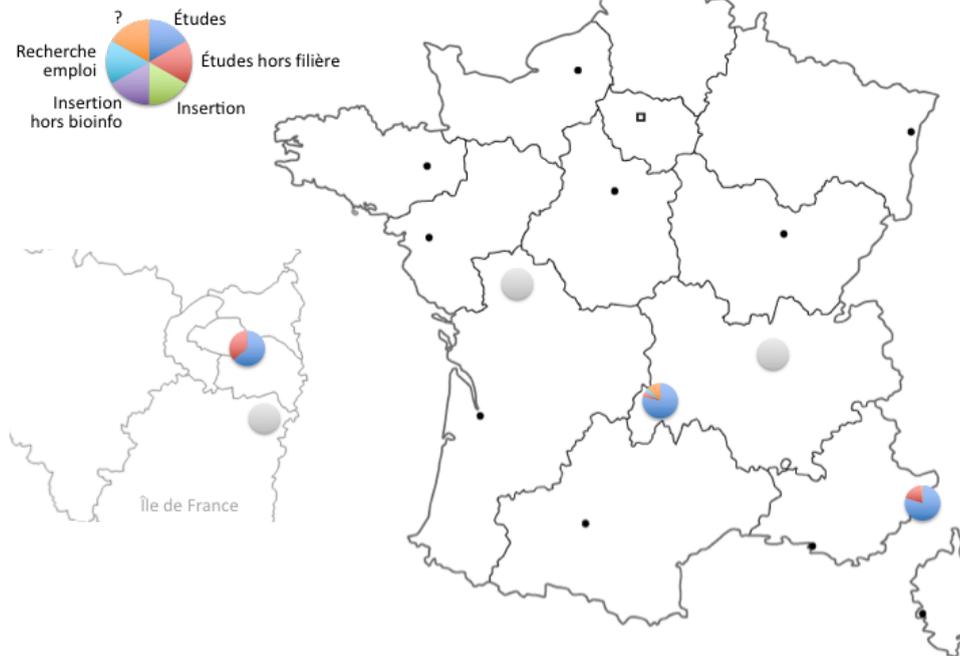
### Mode opératoire

- Addition des flux de tous les niveaux (hors Master) quand il y en a plusieurs, séparation des flux M1 et M2

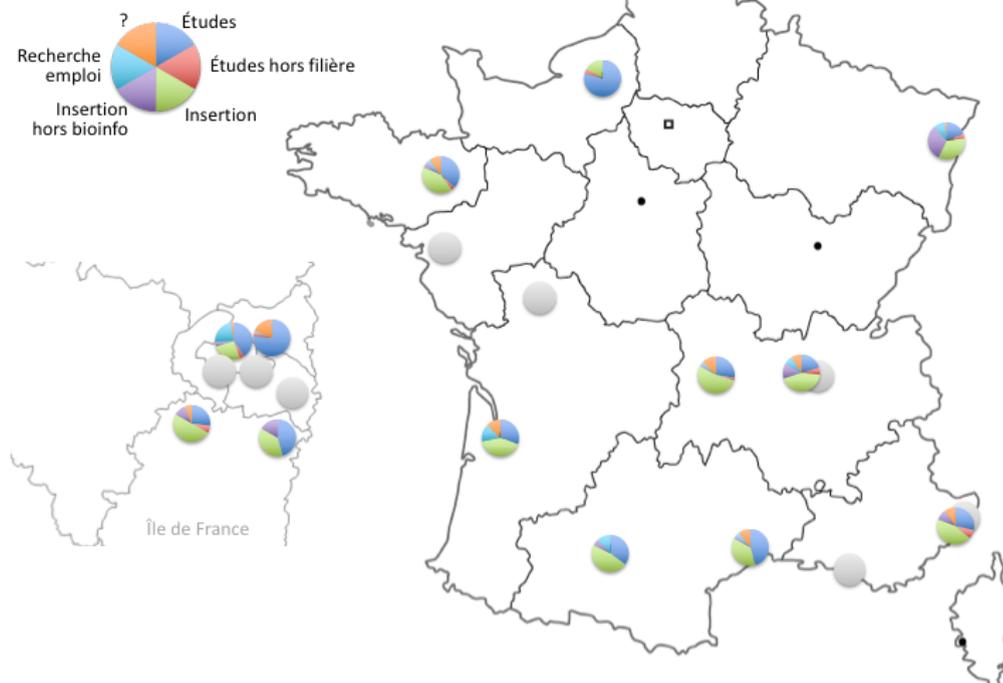
- Cela génère un biais pour les formations en plusieurs années ;
- Le brassage observé en entrée en première année est contrebalancé par son absence entre la première et la deuxième ;
- Mais cela permet d'avoir une vue globale.
- Lorsque qu'une colonne « formation continue » a été rajoutée, arbitrairement rattaché au niveau national en absence de plus de précision.

## Flux des étudiants sortants (entre 0 et 12 mois après l'obtention du diplôme)

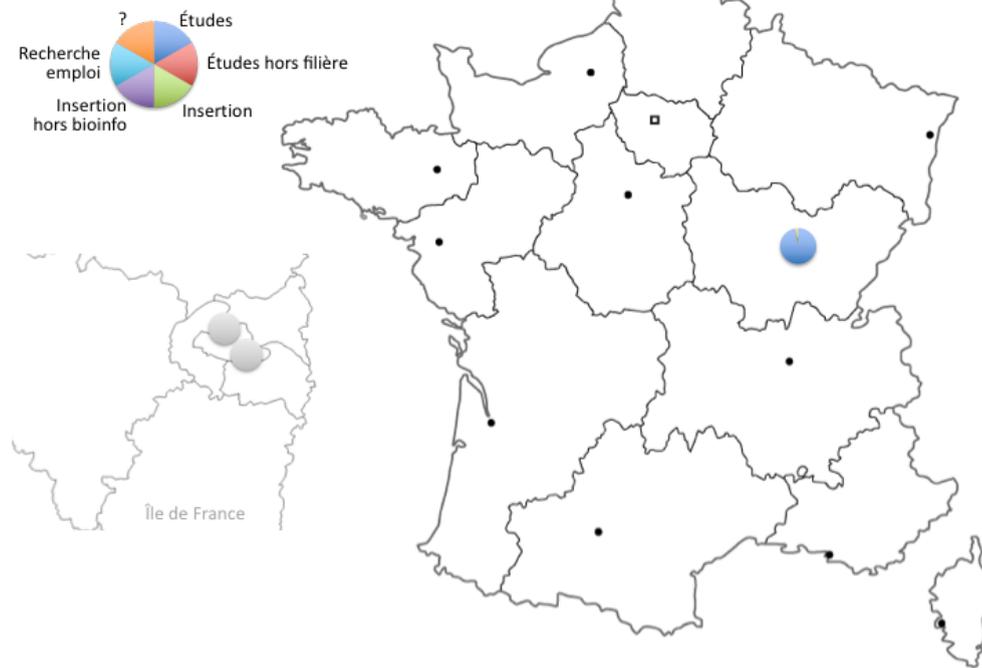
### Flux des étudiants sortants - Licences/DUT



### Flux des étudiants sortants - Masters/EI



## Flux des étudiants sortants - Autres



## Mode opératoire

- Effectifs entre 0 et 12 mois l'année de sortie pour (maximum) 5 promotions