

Rapport de Conférence - ISMB 2018

En Juillet 2018 avait lieu la 26ème édition d'ISMB, à Chicago (<https://www.iscb.org/ismb2018>). ISMB est la plus grande conférence internationale de biologie computationnelle, et est organisée par l'ISCB (International Society for Computational Biology). ISMB est divisée en 18 tracks (COSIs) correspondants à des domaines de recherches spécifiques de la biologie computationnelle et de la bioinformatique, tels que: la biologie des réseaux (NetBio), la médecine translationnelle (TransMed), l'interprétation de variants (VarI), le Machine Learning en Biologie des Systèmes (MLCSB). ISMB s'étend sur 5 jours, et met en avant le développement de nouvelles méthodologies d'intégration de données, d'analyse et d'interprétation de données.

Cette année, j'ai eu l'opportunité de présenter le travail de ma première moitié de thèse dans le COSI *Variant Interpretation*. Ce projet consiste à développer une méthode d'interprétation des variants non-codants dans le cadre des maladies génétiques rares à des fins d'aide au diagnostic et au design expérimental. Ce projet à été soumis et est disponible sur biorXiv (<https://www.biorxiv.org/content/early/2018/07/08/363903>).

La préparation de la présentation à été une expérience très enrichissante, qui m'a poussé à prendre beaucoup de recul par rapport à mon travail afin de trouver une approche suffisamment généraliste pour intéresser un public non-spécialisé tout en conservant suffisamment de détails pour expliquer l'intérêt de cette méthode. La présentation s'est plutôt bien passée, et m'a permis d'entrer en contact avec d'autres chercheurs travaillant sur les mêmes thématiques ainsi que d'obtenir des retours utiles pour améliorer le manuscrit.

Cette édition d'ISMB était riche en présentation plus ou moins directement reliées à mon travail, et m'ont donné plusieurs idées de poursuite et d'amélioration de mes différents projets de thèse. ISMB m'a aussi permis de découvrir d'autres laboratoires dans lesquels je pourrai peut-être poursuivre ma thèse par un postdoc.

Globalement, je suis très content de ma première conférence à l'étranger, ce fut une grande opportunité autant d'un point de vue personnel que professionnel, et qui me permet de situer mon travail un peu mieux dans son champ de recherche mais également au sein de la biologie computationnelle en général.

Je remercie sincèrement la SFBI pour m'avoir aidé à participer à cette conférence.

Barthélémy Caron
PhD candidate
Clinical Bioinformatics Laboratory - Institut Imagine