

Rapport de conférence - SMBE 2019

La conférence organisée par la société pour la biologie moléculaire et l'évolution a eu lieu cette année à Manchester du 21 au 25 juillet. Il s'agit d'un congrès de haut niveau, offrant un programme varié autour des thématiques de l'évolution. Notamment, la majorité des symposia s'articulent autour du développement et/ou de l'application de nouvelles méthodologies bioinformatiques visant à mieux comprendre des processus évolutifs. Pour cette édition, plus de 300 présentations orales et plus de 600 posters étaient répartis dans les 39 symposia, auxquels s'ajoutent 4 exposés de conférenciers invités ainsi que divers ateliers.

Un des moments forts de la conférence a été le Walter Fitch Award symposium. Ce symposium est entièrement dédié aux jeunes chercheurs, qui y présentent leurs travaux de thèse. Les présentations sélectionnées étaient toutes d'une grande qualité scientifique et pédagogique, les rendant à la fois impressionnantes et inspirantes. Le lauréat de cette année, Dr. Matthew Jones, a été récompensé pour son travail qui a permis de mettre en lumière les bases moléculaires du changement saisonnier de la couleur du pelage du Lièvre d'Amérique.

J'attendais également avec intérêt l'exposé de la Présidente de la SMBE, Pr A. McLysaght. Pr McLysaght est une actrice clé de mon domaine de recherche. Elle s'intéresse à l'évolution des génomes de vertébrés à la lumière d'événements évolutifs particuliers, tels que les duplications de génome. Dans un premier temps, elle a expliqué les résultats historiques marquants de ses travaux, puis elle a présenté des résultats très récents ainsi que ses hypothèses actuelles. Cette dernière partie a été très intéressante, proposant de réfléchir aux duplications de gènes et de génome sous un nouvel angle.

Enfin, j'ai eu l'opportunité de présenter mon travail de thèse sous forme de poster. J'ai développé une nouvelle méthodologie visant à mieux comprendre les conséquences génomiques et fonctionnelles d'un événement de duplication de génome chez les poissons. Il s'agissait d'une de mes expériences de présentation les plus enrichissantes. J'ai senti que mon travail était désormais plus abouti, attirant des chercheurs intéressés par la méthodologie que j'ai développée, ainsi que d'autres plus portés sur les résultats biologiques. Ces nombreuses discussions m'ont permis de prendre plus de recul sur mon travail et d'envisager de nouvelles pistes.

De manière générale, ce congrès a présenté une source de motivation et de nouvelles idées. Il m'a également permis d'élargir mes connaissances et compétences scientifiques.

Je remercie la Société Française de Bioinformatique d'avoir financé ma participation à ce bel événement.